

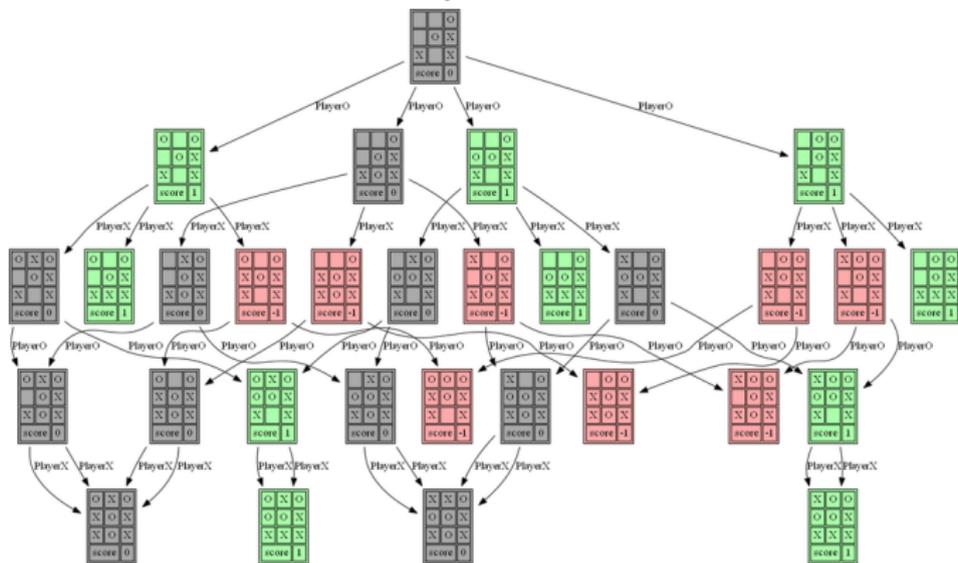
MAC0323 Algoritmos e Estruturas de Dados II

Edição 2020 – 2

AULA 20

Anatomia da busca em profundidade

Classificação dos arcos



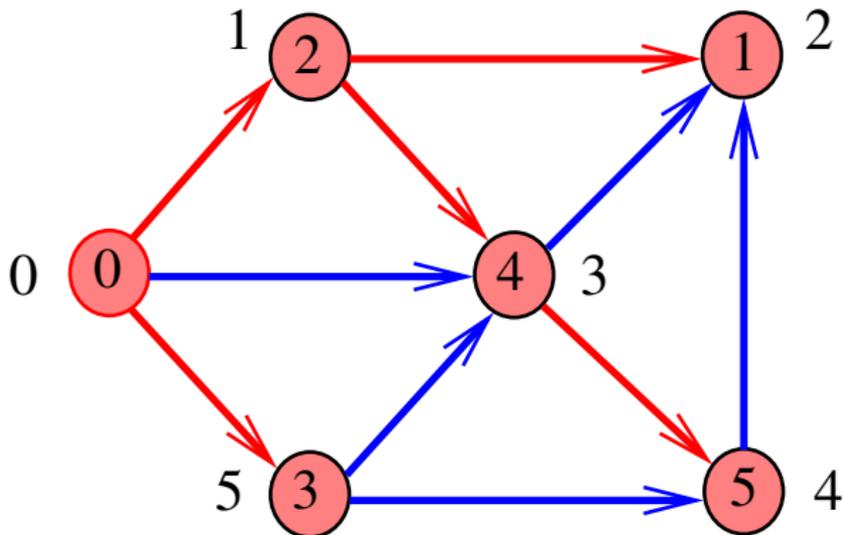
Fonte: Using Minimax (with the full game tree)
to implement the machine players ...

Referências: CLRS 22

Arcos da arborescência

Arcos da arborescência são os arcos $v-w$ que $\text{dfs}()$ percorre para visitar w pela primeira vez.

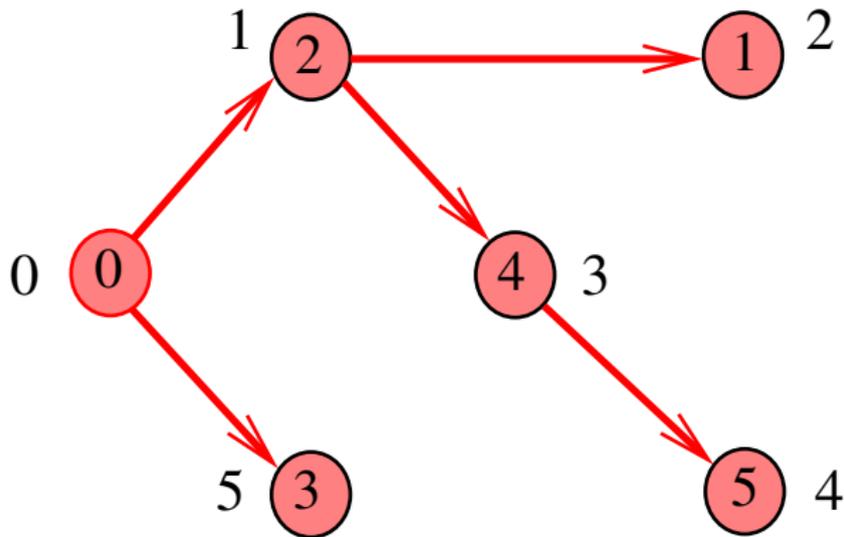
Exemplo: arcos em **vermelho** são arcos da arborescência



Arcos da arborescência

Arcos da arborescência são os arcos $v-w$ que $\text{dfs}()$ percorre para visitar w pela primeira vez.

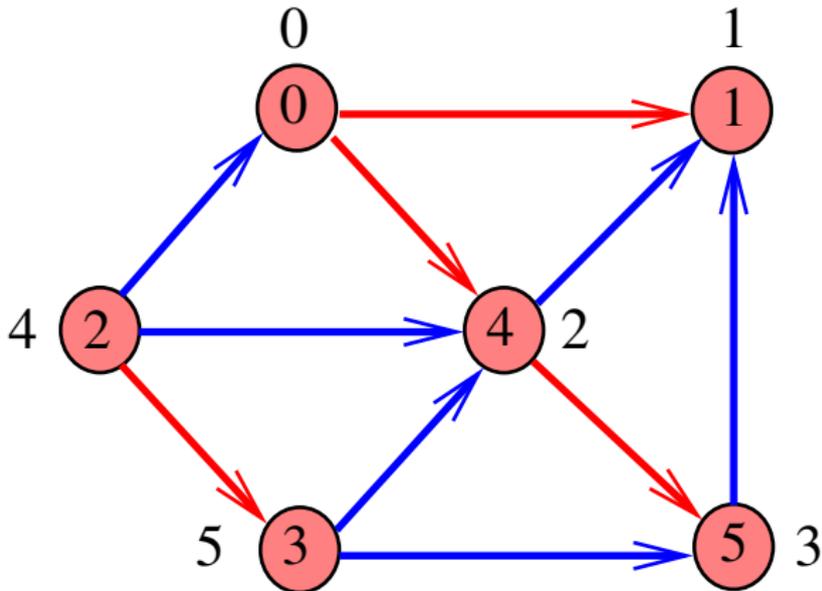
Exemplo: arcos em **vermelho** são arcos da arborescência



Floresta DFS

Conjunto de arborescências é a **floresta da busca em profundidade** (= *DFS forest*).

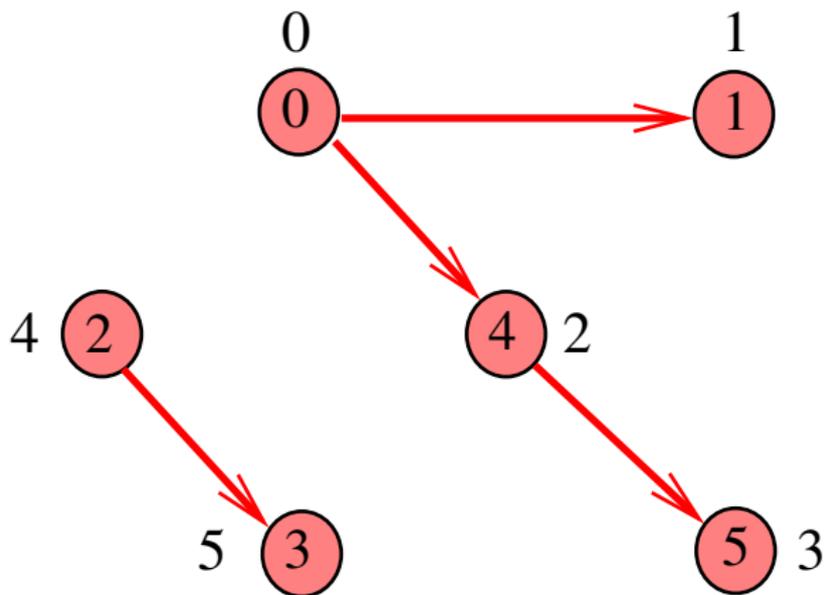
Exemplo: arcos em **vermelho** formam a **floresta DFS**



Floresta DFS

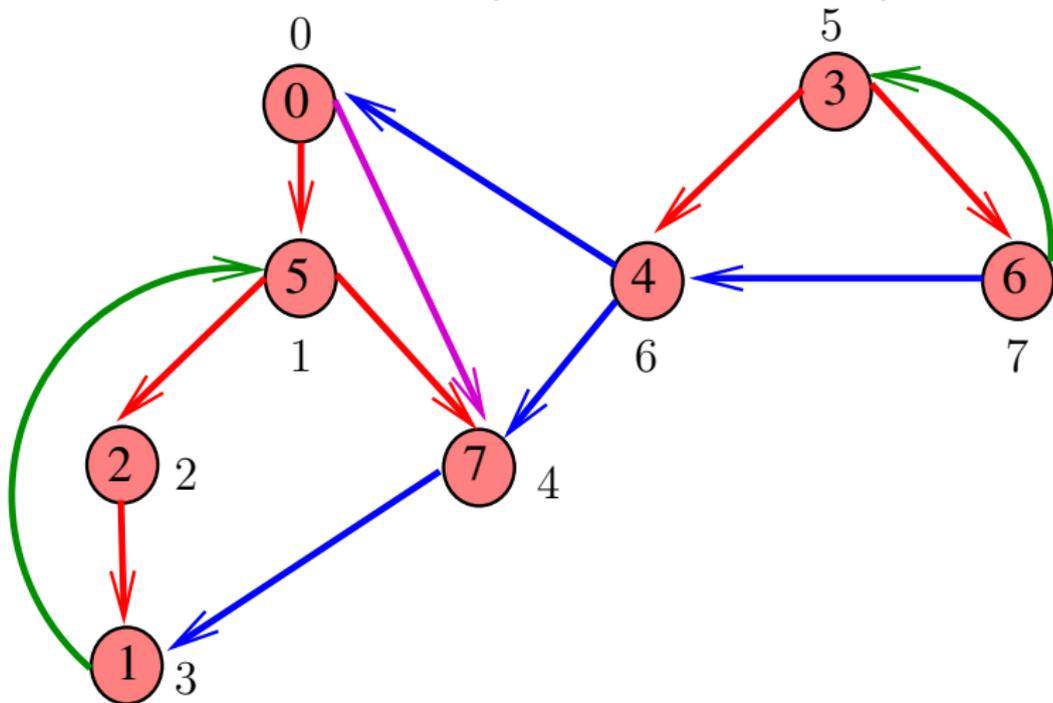
Conjunto de arborescências é a **floresta da busca em profundidade** (= *DFS forest*).

Exemplo: arcos em **vermelho** formam a **floresta DFS**



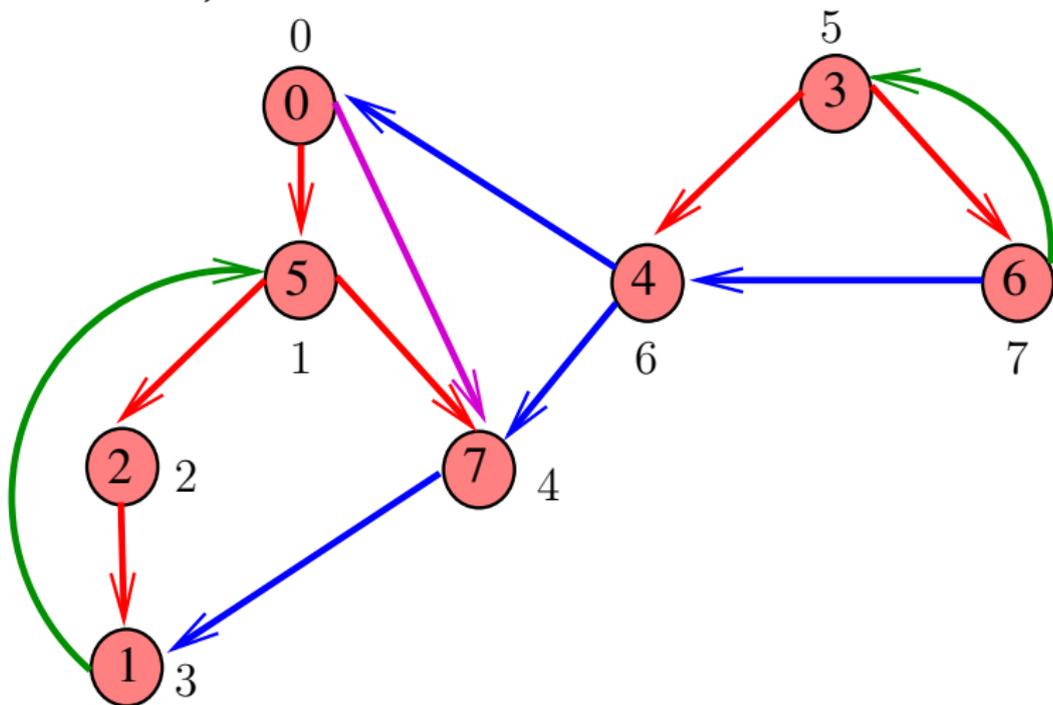
Arcos de arborescência

$v-w$ é **arco de arborescência** se foi usado para visitar w pela primeira vez (arcos **vermelhos**).



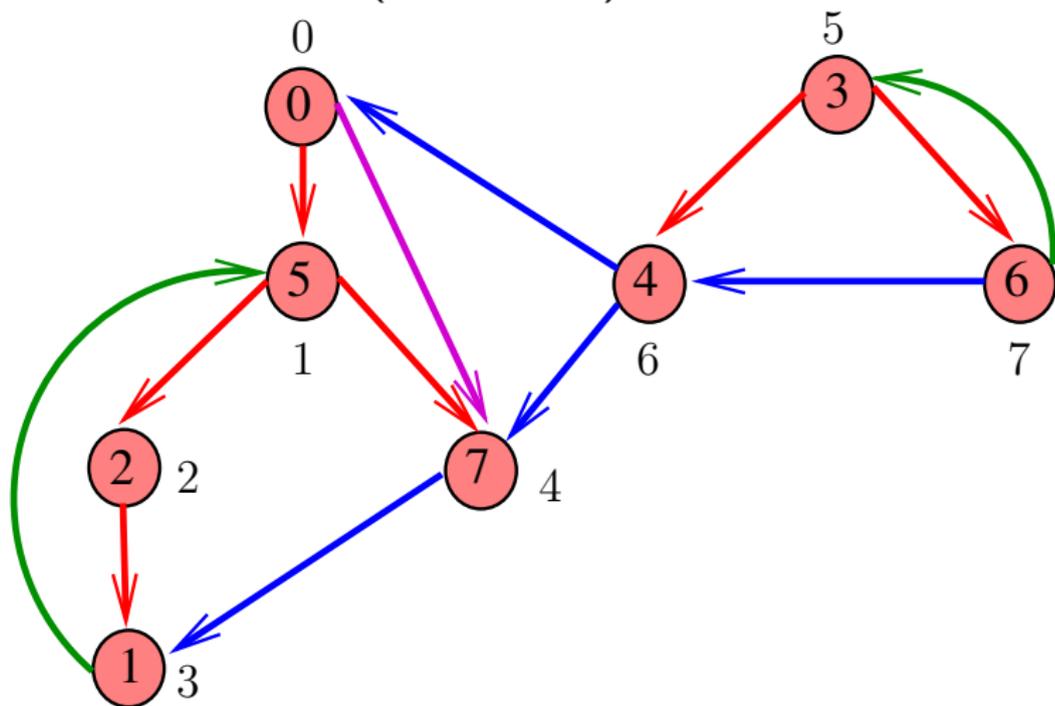
Arcos de retorno

$v-w$ é **arco de retorno** se w é ancestral de v
(arcos **verdes**).



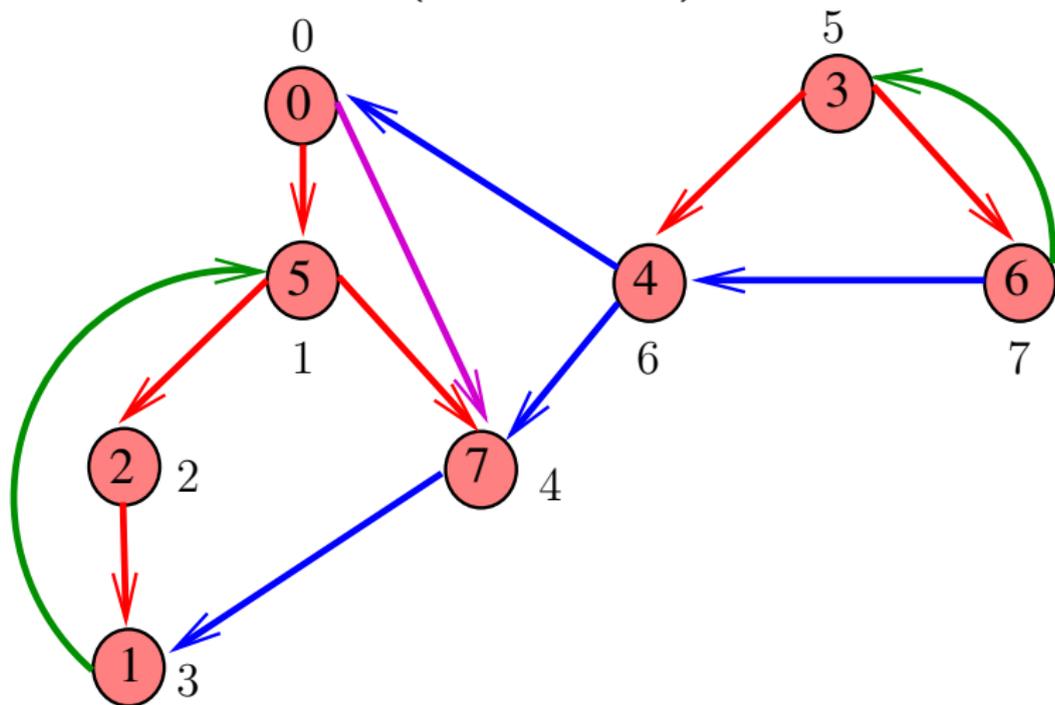
Arcos descendentes

$v-w$ é **descendente** se w é descendente de v ,
mas não é filho de v (arco **roxo**).



Arcos cruzados

$v-w$ é **arco cruzado** se w não é ancestral nem descendente de v (arcos **azuis**).



Como obter a anatomia da DFS (CLRS)

O digrafo G tem $G \rightarrow V$ vértices

Fazemos uma DFS que visita todos os vértices e arcos do digrafo G .

Como obter a anatomia da DFS (CLRS)

O digrafo G tem $G \rightarrow V$ vértices

Fazemos uma DFS que visita todos os vértices e arcos do digrafo G .

```
static int time;  
static int *d = mallocSafe(G->V*sizeof(int));  
static int *f = mallocSafe(G->V*sizeof(int));
```

A função registra em $d[v]$ o 'momento' em que v foi descoberto e em $f[v]$ o momento em que v foi completamente examinado.

DFSanatomia: estrutura

```
static struct dfsanatomia {  
    bool *marked;  
    int *edgeTo;
```

DFSanatomia: estrutura

```
static struct dfsanatomia {  
    bool *marked;  
    int *edgeTo;  
  
    int time;  
    int *d;           /* discovered */  
    int *f;           /* finished */  
}
```

DFSAnatomia: estrutura

```
static struct dfsanatomia {
    bool *marked;
    int *edgeTo;

    int time;
    int *d;           /* discovered */
    int *f;           /* finished */

    Queue pre;       /* pré-ordem */
    Queue pos;       /* pós-ordem */
    Stack revPos;    /* pós-ordem reversa */
}

typedef struct dfscc *dfsAnatomia;
```

DFSAnatomia: construtor

```
dfsAnatomia DFSAnatomiaInit(Digraph G) {  
    dfsAnatomia T = mallocSafe(sizeof(*dfs));  
    /* DFSPathsInit */  
    ...  
    T->time = 0;  
    T->d = mallocSafe(G->V*sizeof(int));  
    T->f = mallocSafe(G->V*sizeof(int));  
  
    T->pre = queueInit();  
    T->pos = queueInit();  
    T->revPos = stackInit();  
}
```

DFSAnatomia: construtor

```
dfsAnatomia DFSAnatomiaInit(Digraph G) {
    dfsAnatomia T = mallocSafe(sizeof(*dfs));
    /* DFSPathsInit */
    ...
    T->time = 0;
    T->d = mallocSafe(G->V*sizeof(int));
    T->f = mallocSafe(G->V*sizeof(int));

    T->pre = queueInit();
    T->pos = queueInit();
    T->revPos = stackInit();

    for (int v = 0; v < G->V; v++)
        if (!T->marked(v))
            dfs(G, v, T);
    return T;
}
```

dfs() original

```
static void dfs(Digraph G, int v, dfsPaths T) {  
    Link w;  
    T->marked[v] = true;  
    for (w = G->adj[v]; w != NULL; w = w->next)  
        if (!T->marked[w->vertex]) {  
            T->edgeTo[w->vertex] = v;  
            dfs(G, w->vertex, T);  
        }  
    }  
}
```

Alterações na dfs()

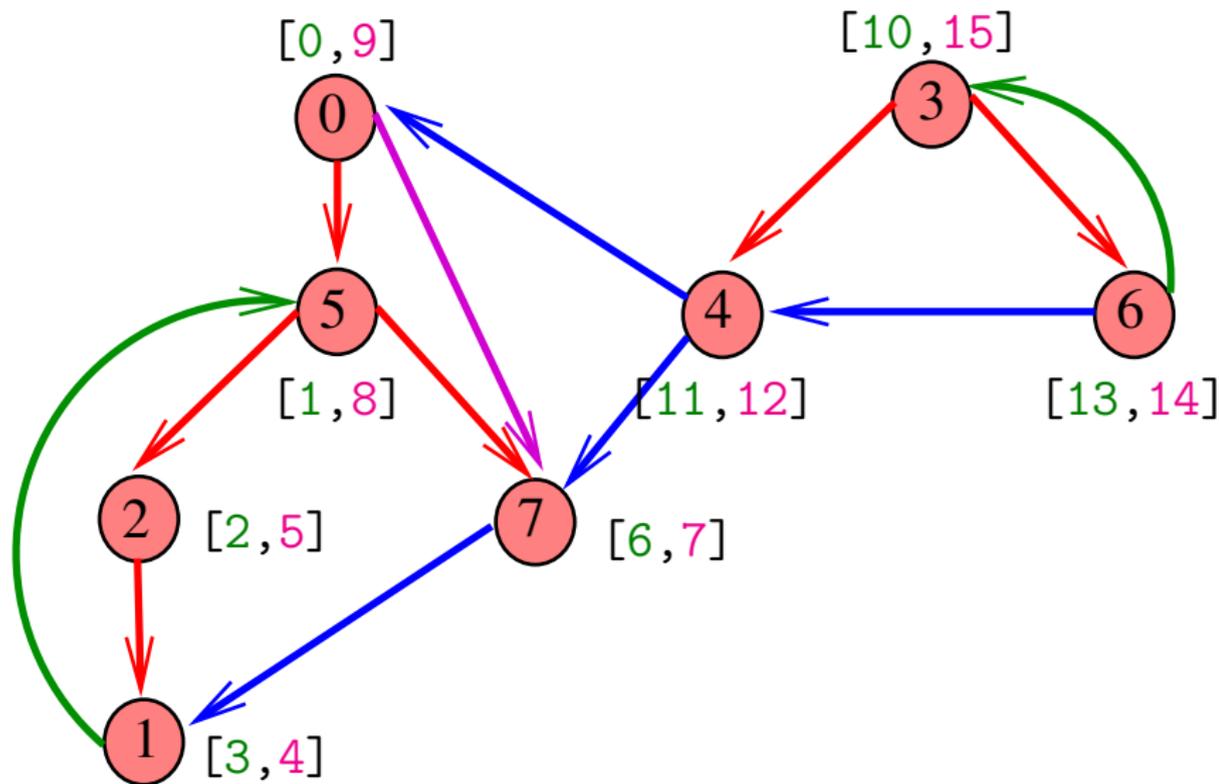
```
static void dfs(Digraph G, int v, dfsAnatomia T) {
    Link w;
    T->marked[v] = true;
    T->d[v] = (T->time)++;           /* descoberto */
    enqueue(T->pre, v);             /* pré-ordem */
    for (w = G->adj[v]; w != NULL; w = w->next)
        if (!T->marked[w->vertex]) {
            T->edgeTo[w->vertex] = v;
            dfs(G, w->vertex, T);
        }
    enqueue(T->pos, v);             /* pós-ordem */
    push(T->revPos, v);            /* pós-ordem reversa */
    T->f[v] = (T->time)++;         /* terminamos */
}
```

Consumo de tempo

Determinar a anatomia da DFS, para **vetor de listas de adjacência**, consome tempo $O(V + E)$.

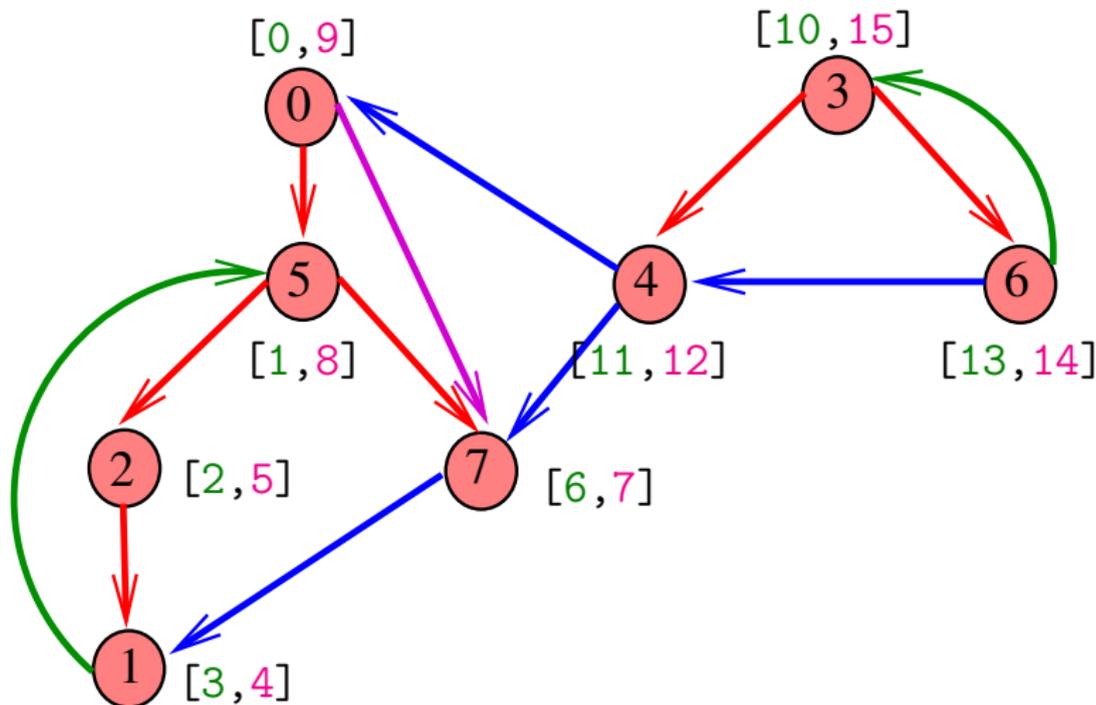
Determinar a anatomia da DFS, para **matriz de adjacências**, consome tempo $O(V^2)$.

Classificação dos arcos



Arcos de arborescência ou descendentes

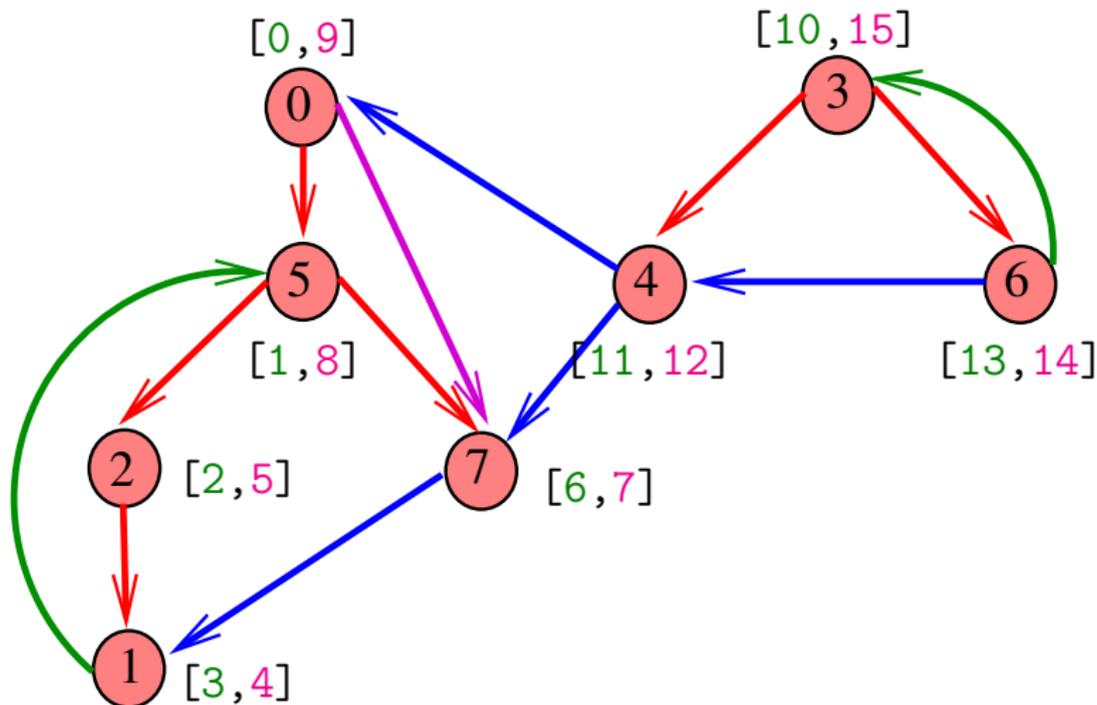
$v-w$ é **arco de arborescência** ou **descendente** se e somente se $d[v] < d[w] < f[w] < f[v]$.



Arcos de retorno

$v-w$ é **arco de retorno** se e somente se

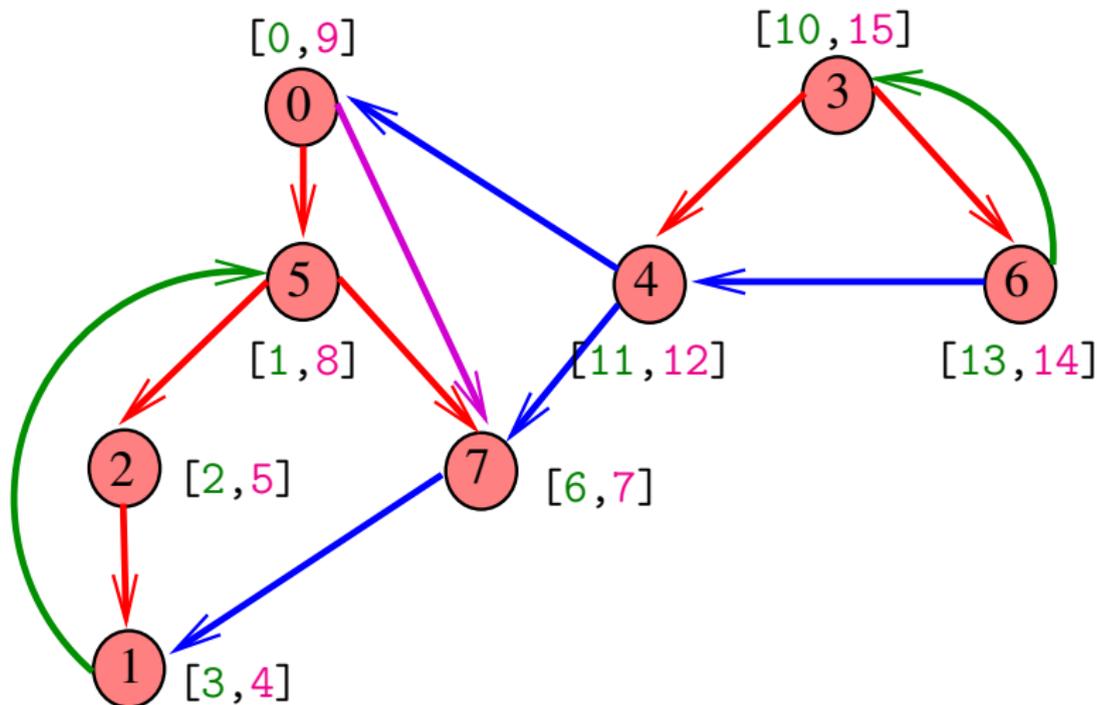
$$d[w] < d[v] < f[v] < f[w].$$



Arcos cruzados

$v-w$ é arco **cruzado** se e somente se

$$d[w] < f[w] < d[v] < f[v].$$

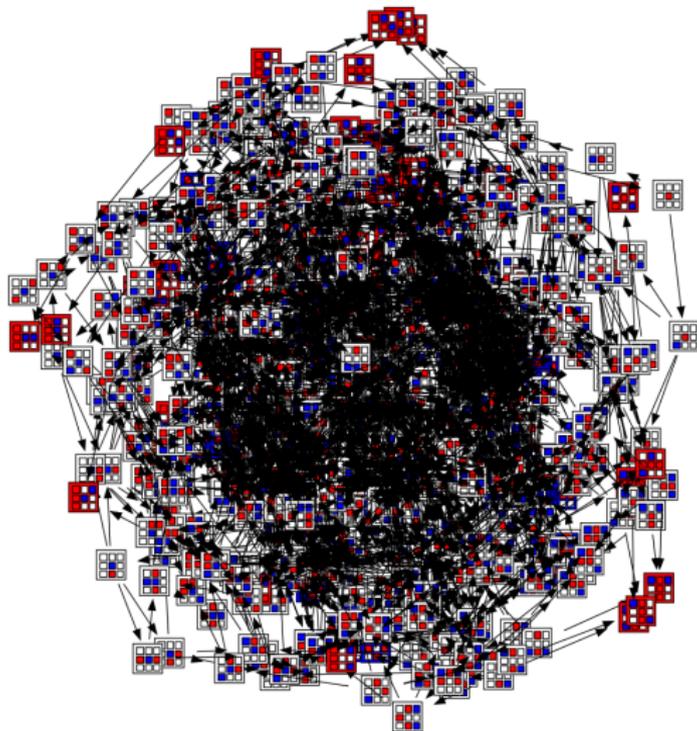


Conclusões

$v-w$ é:

- ▶ **arco de arborescência** se e somente se $d[v] < d[w] < f[w] < f[v]$ e $\text{edgeTo}[w] = v$;
- ▶ **arco descendente** se e somente se $d[v] < d[w] < f[w] < f[v]$ e $\text{edgeTo}[w] \neq v$;
- ▶ **arco de retorno** se e somente se $d[w] < d[v] < f[v] < f[w]$;
- ▶ **arco cruzado** se e somente se $d[w] < f[w] < d[v] < f[v]$;

Ciclos em digrafos

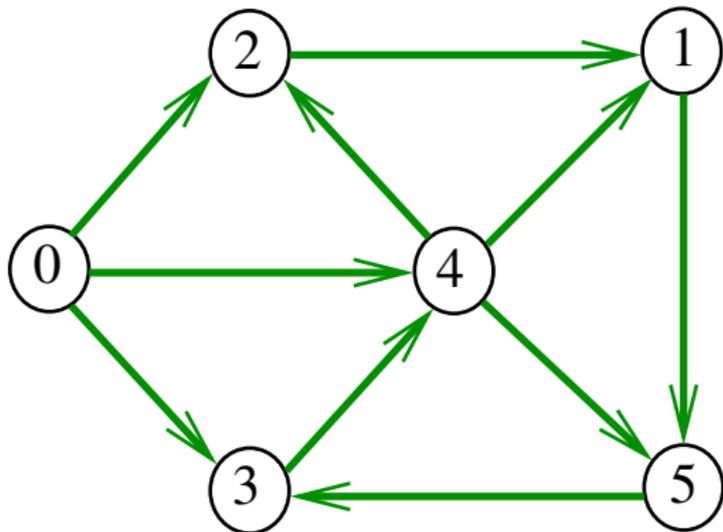


Fonte: [laying out a large graph with graphviz](#)

Procurando um ciclo

Problema: decidir se um dado digrafo possui um ciclo.

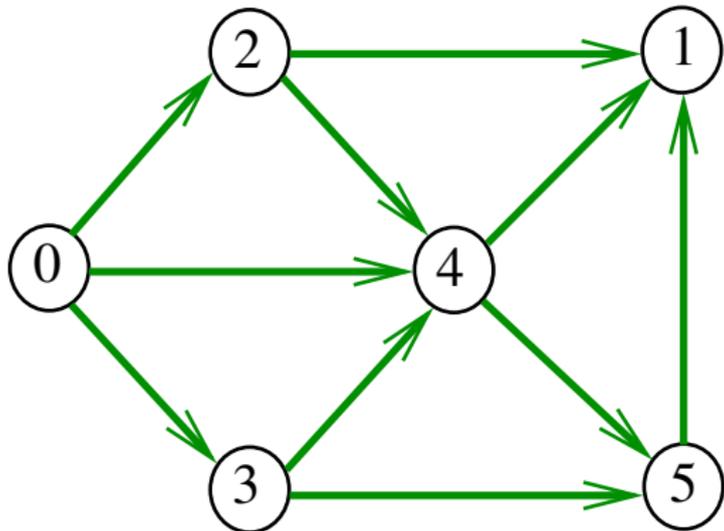
Exemplo: para o digrafo a seguir, a resposta é **SIM**



Procurando um ciclo

Problema: decidir se um dado digrafo possui um ciclo.

Exemplo: para o digrafo a seguir, a resposta é **NÃO**



DirectedCycle café com leite

Recebe um digrafo G e decide se existe um ciclo em G .

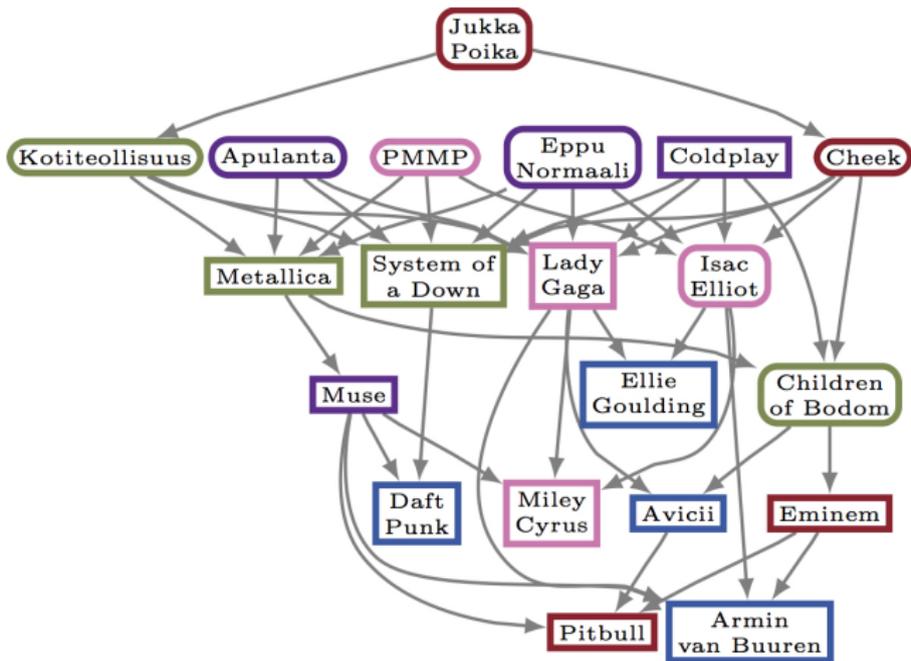
Para cada arco $u-v$, podemos fazer

```
dfsPaths dfs = DFSpaths(G, v);
```

e verificar se `hasPath(dfs, u)`.

O consumo de tempo para
vetor de listas de adjacência é $O(E(V + E))$.

Digrafos acíclicos (DAGs)

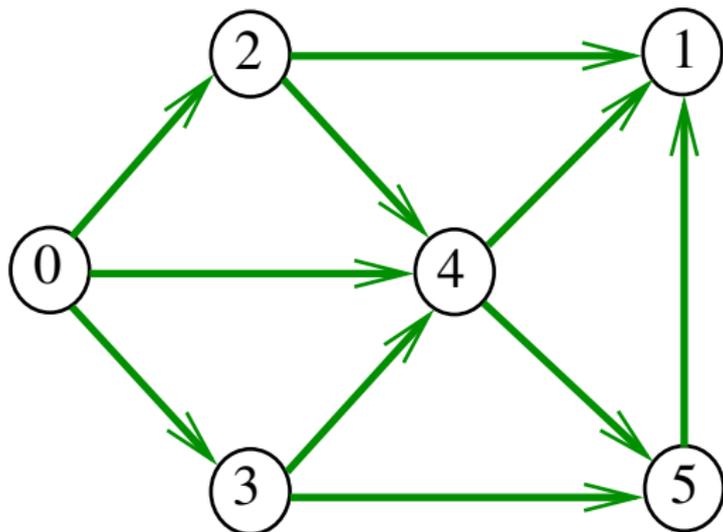


Fonte: Comparing directed acyclic graphs

DAGs

Um digrafo é **acíclico** se não tem ciclos.
Digrafos acíclicos também são conhecidos
como DAGs (= *directed acyclic graphs*).

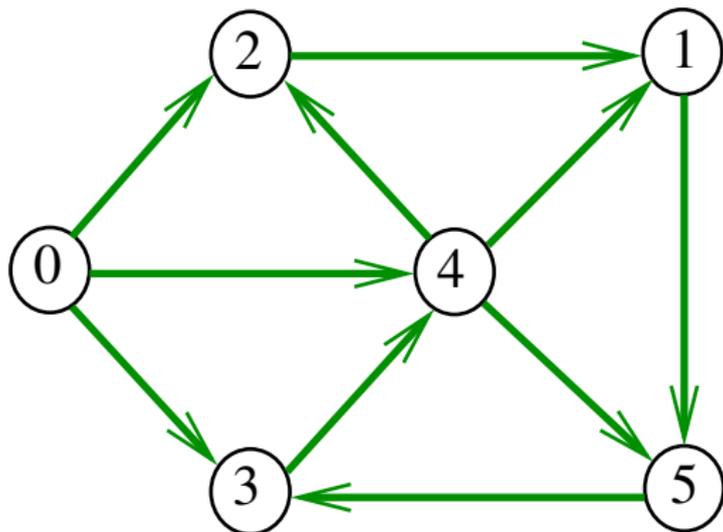
Exemplo: um digrafo acíclico



DAGs

Um digrafo é **acíclico** se não tem ciclos.
Digrafos acíclicos também são conhecidos
como DAGs (= *directed acyclic graphs*).

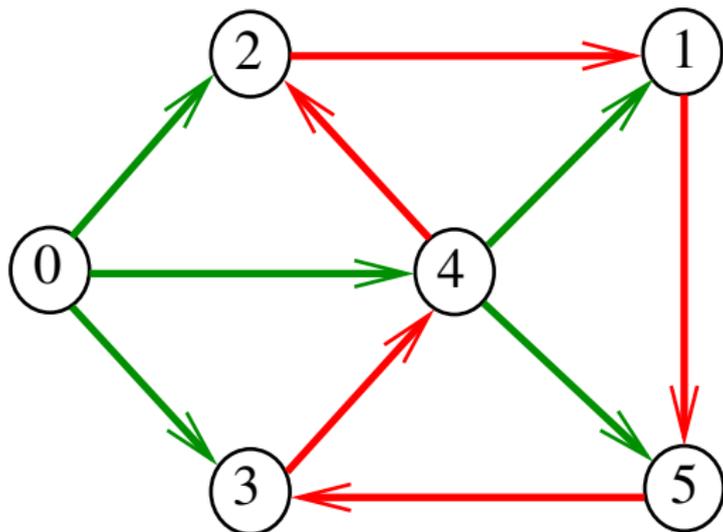
Exemplo: um digrafo que **não** é acíclico



DAGs

Um digrafo é **acíclico** se não tem ciclos.
Digrafos acíclicos também são conhecidos
como DAGs (= *directed acyclic graphs*).

Exemplo: um digrafo que **não** é acíclico



Ordenação topológica

Uma **permutação** dos vértices de um digrafo é uma sequência em que cada vértice aparece uma e uma só vez.

Uma **ordenação topológica** (= *topological sorting*) de um digrafo é uma permutação

$$ts[0], ts[1], \dots, ts[V-1]$$

dos seus vértices tal que todo arco tem a forma

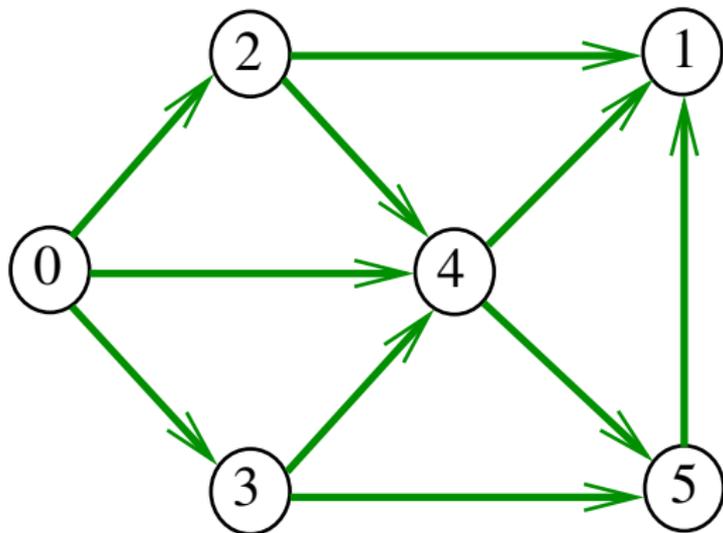
$$ts[i] - ts[j] \text{ com } i < j.$$

$ts[0]$ é necessariamente uma **fonte**

$ts[V-1]$ é necessariamente um **sorvedouro**

Exemplo

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]	0	3	2	4	5	1



DAGs versus ordenação topológica

É evidente que digrafos com ciclos **não** admitem ordenação topológica.

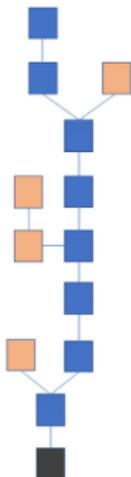
É menos evidente que **todo** DAG admite uma ordenação topológica.

A prova desse fato é um algoritmo que recebe um digrafo arbitrário e devolve

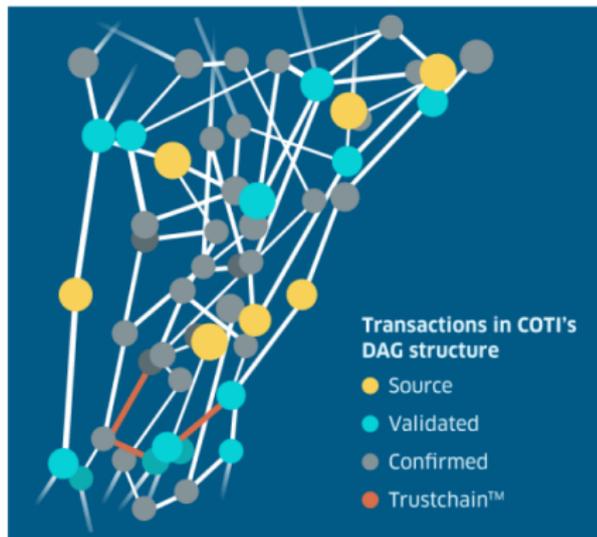
- ▶ um **ciclo** ou
- ▶ uma **ordenação topológica do digrafo**.

Algoritmos de ordenação topológica

Blockchain vs Directed Acyclic Graph (DAG)



Blockchain



COTI's DAG

Fonte: [Our Exciting Partnership With COTI](#)

Algoritmo de eliminação de fontes

Armazena em $ts[0..i-1]$ uma permutação de um subconjunto do conjunto de vértices de G e devolve o valor de i .

Se $i = G \rightarrow V$ então

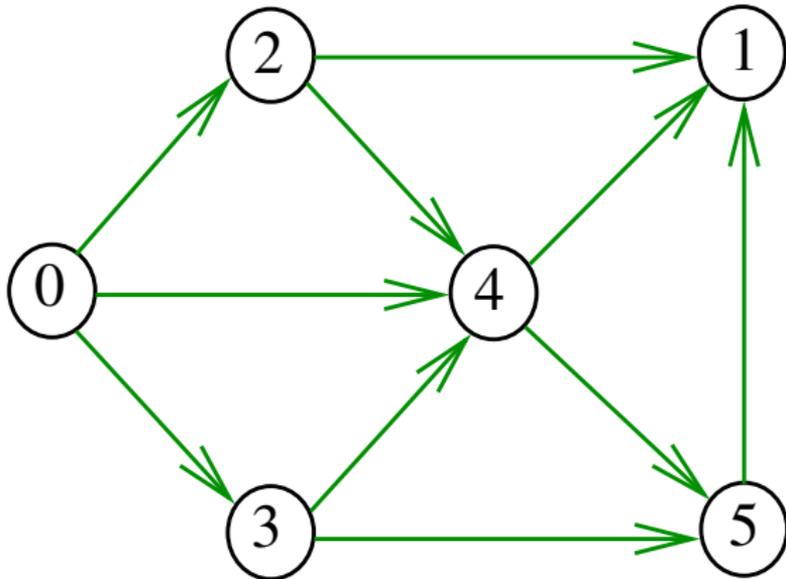
$ts[0..i-1]$ é uma ordenação topológica de G .

Caso contrário, G **não** é um DAG.

```
int DAGts1 (Digraph G, Vertex *ts);
```

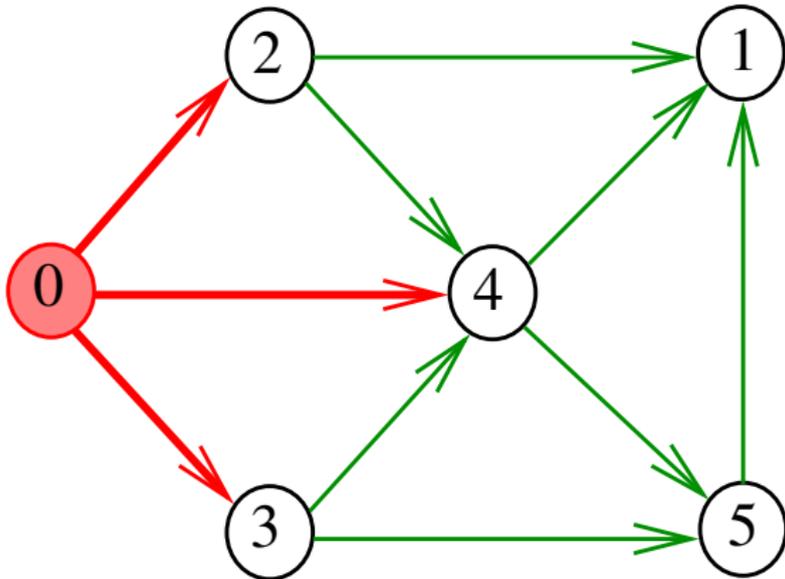
Exemplo

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]						



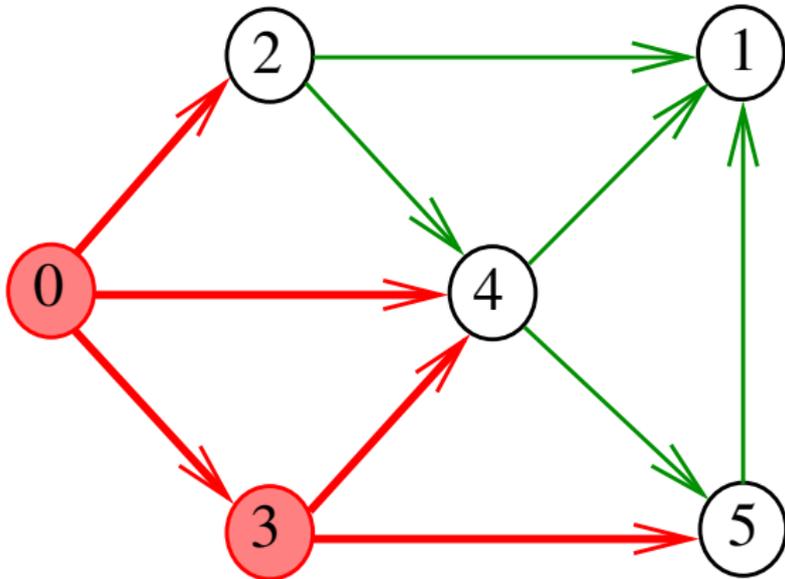
Exemplo

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]	0					



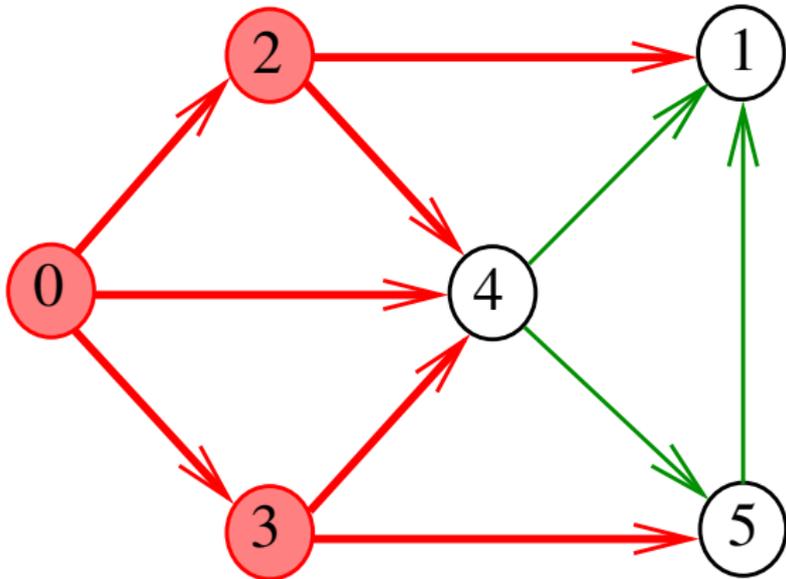
Exemplo

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]	0	3				



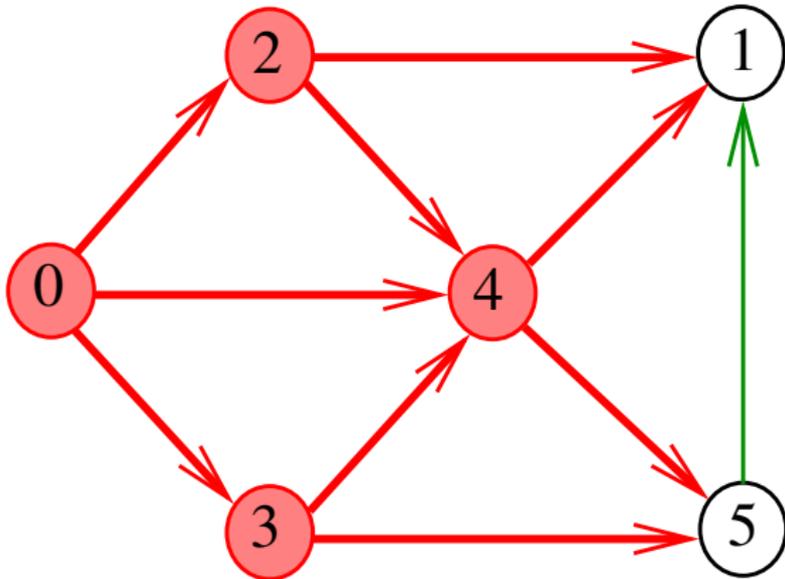
Exemplo

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]	0	3	2			



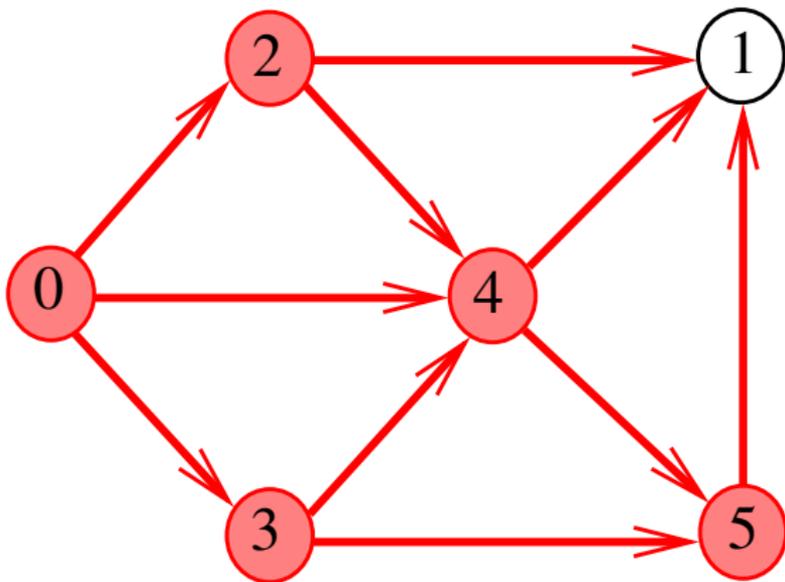
Exemplo

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]	0	3	2	4		



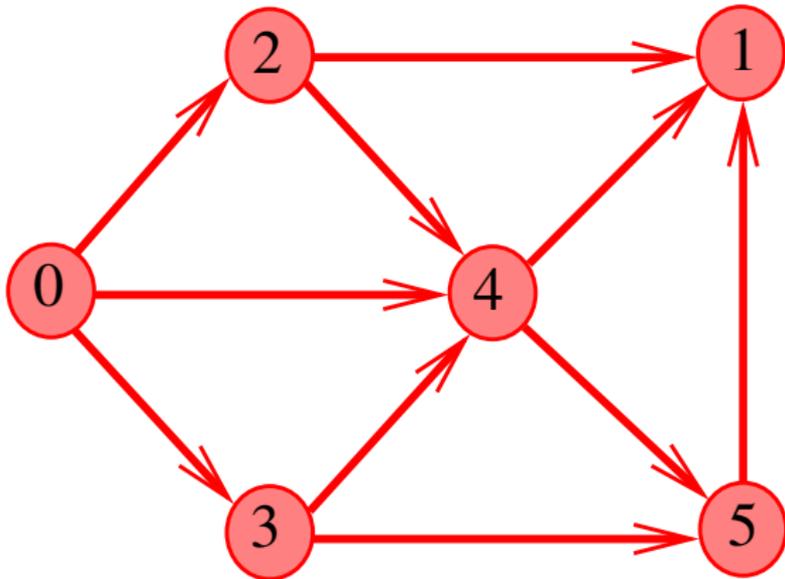
Exemplo

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]	0	3	2	4	5	



Exemplo

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]	0	3	2	4	5	1



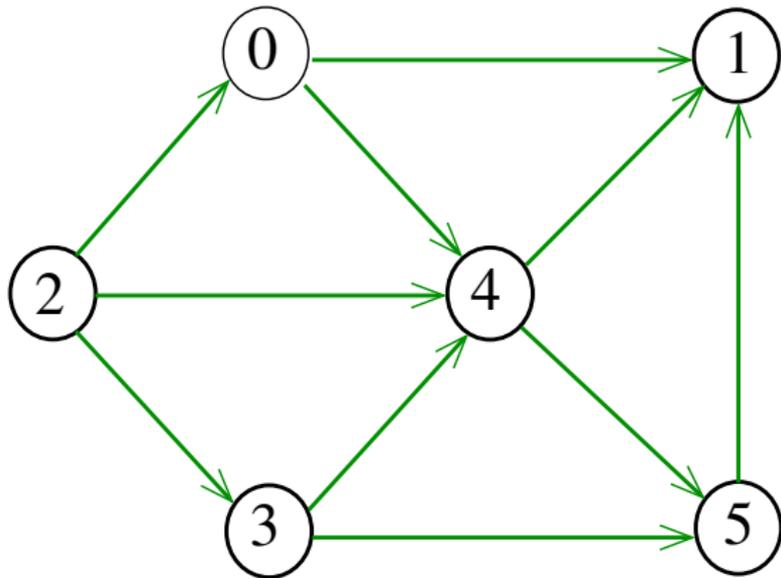
Consumo de tempo

O consumo de tempo desse algoritmo para
vetor de listas de adjacência é $O(V + E)$.

O consumo de tempo desse algoritmo para
matriz de adjacências é $O(V^2)$.

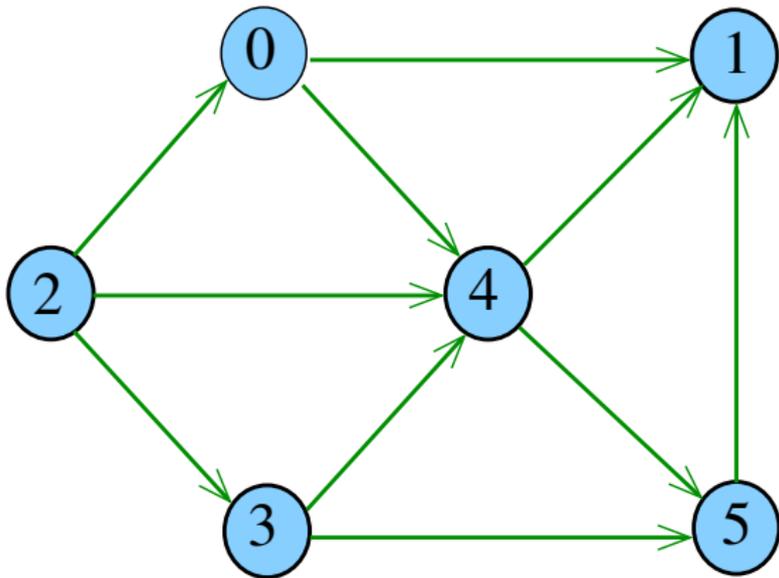
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]						



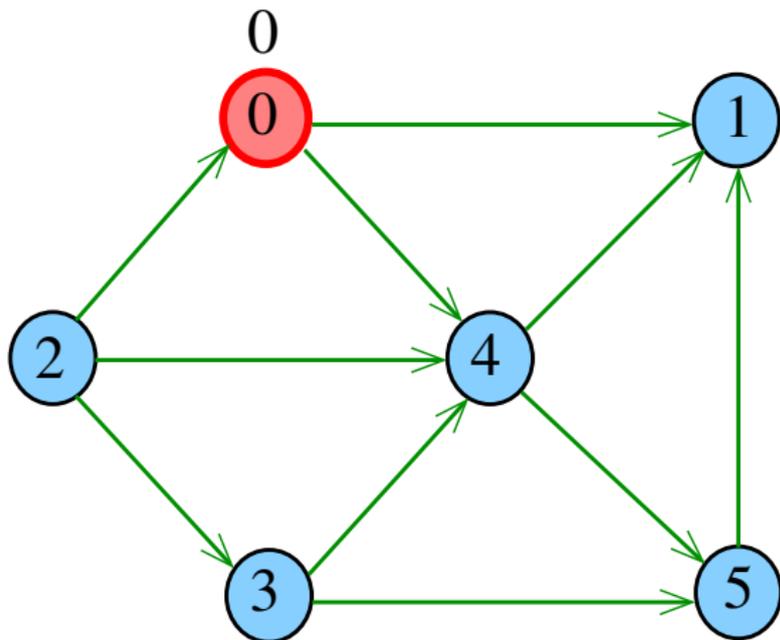
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]						



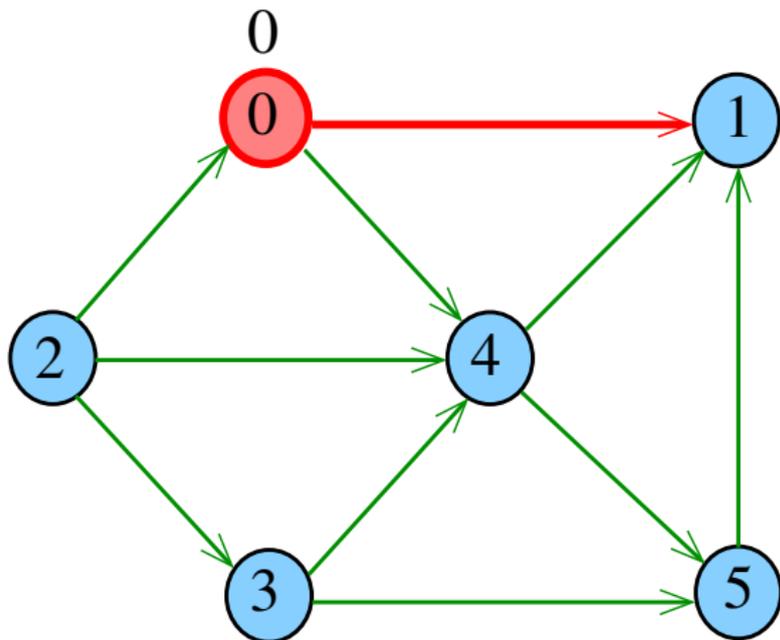
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]						



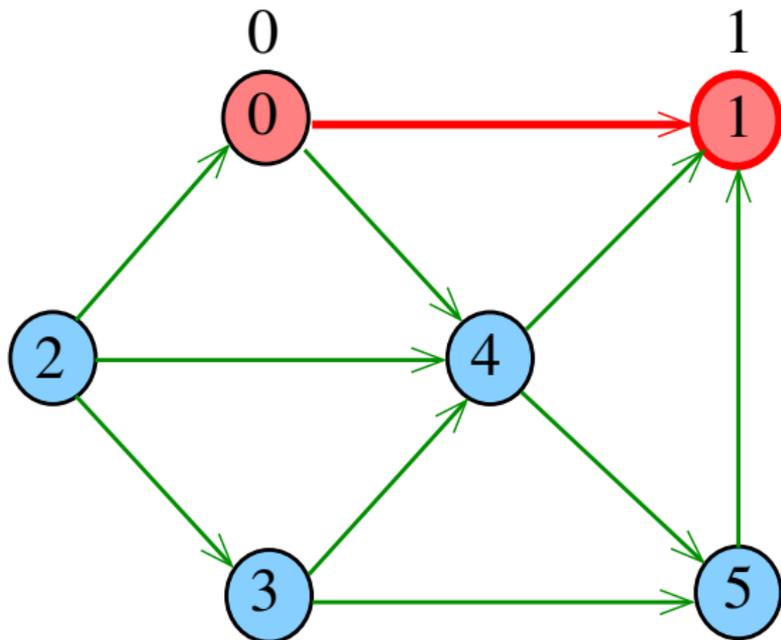
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]						



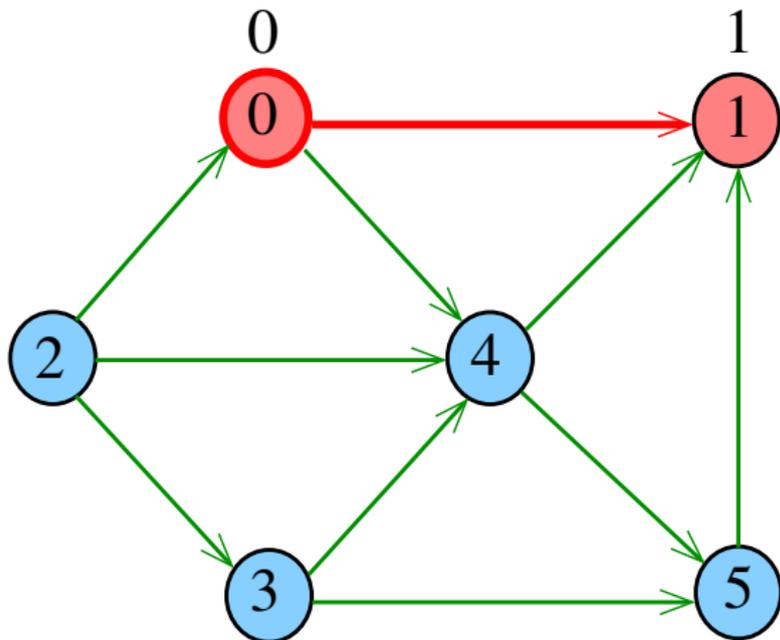
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]						



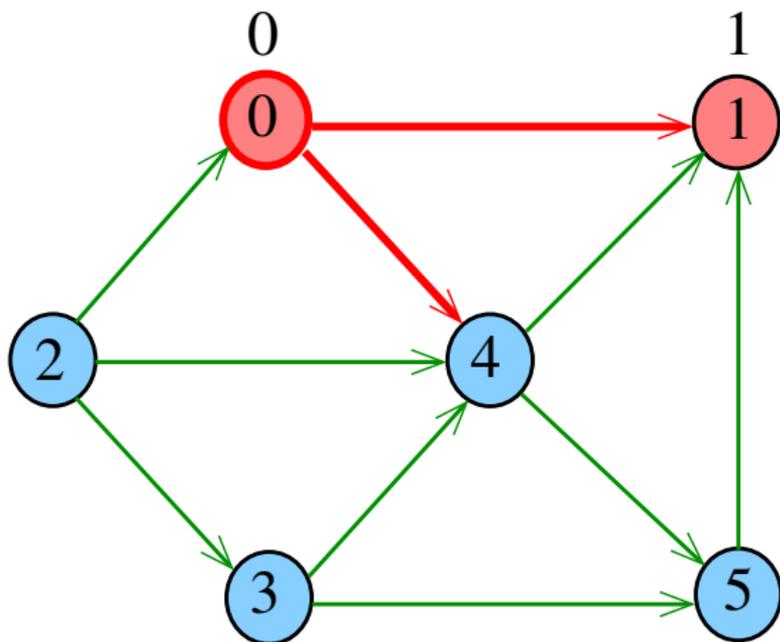
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]						1



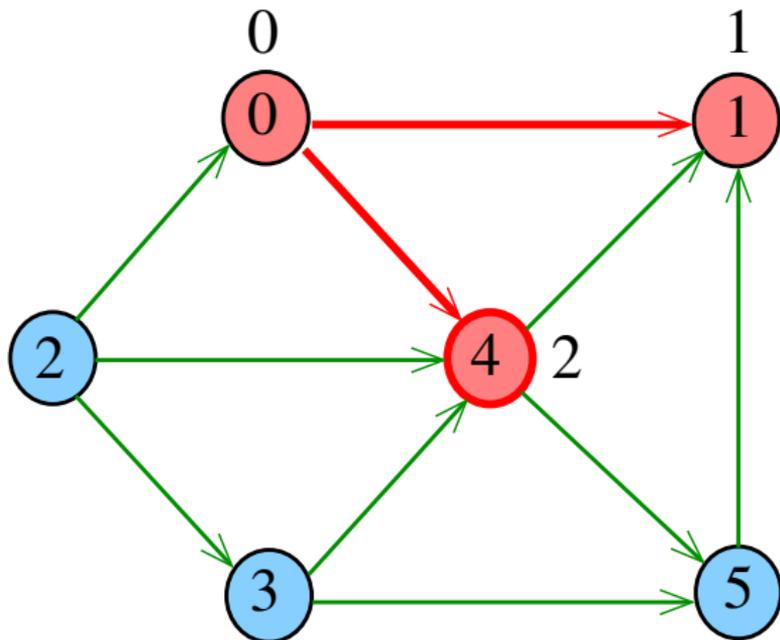
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]						1



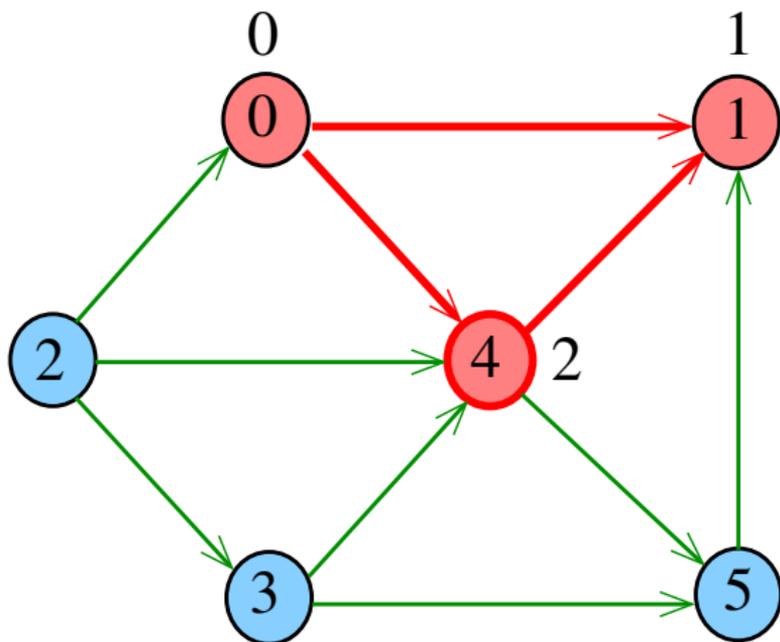
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]						1



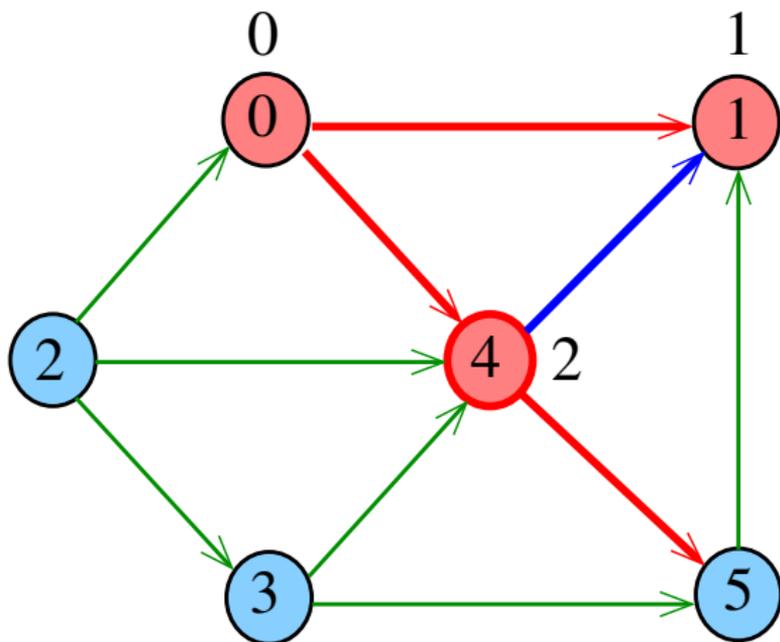
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]						1



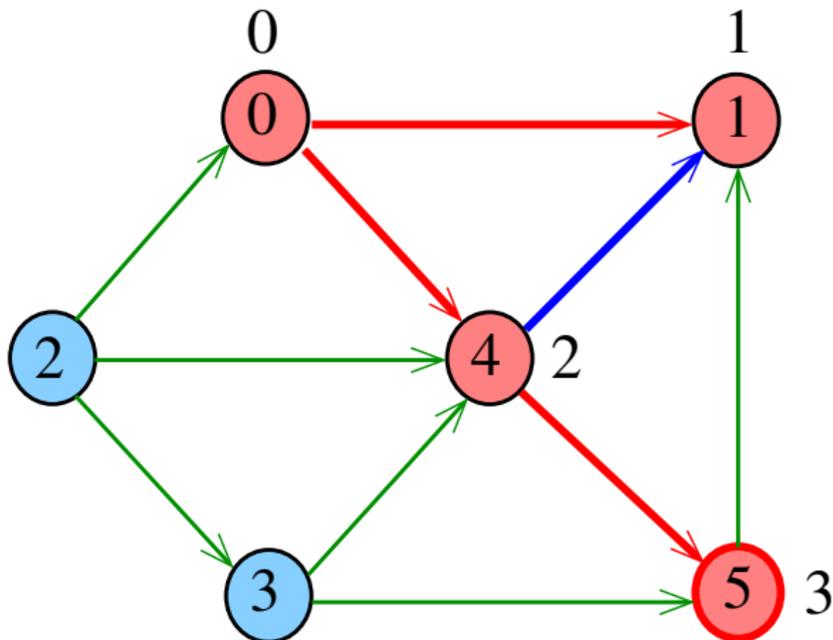
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]						1



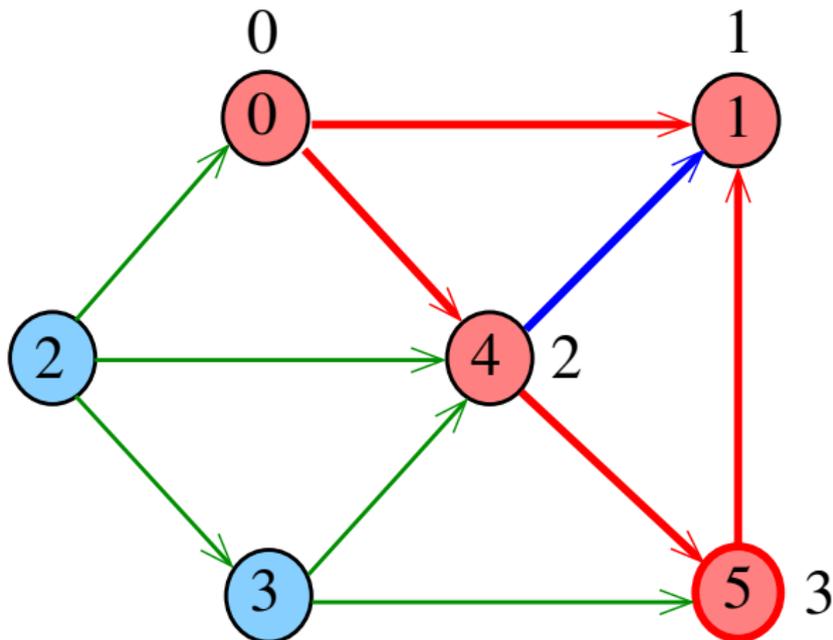
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]						1



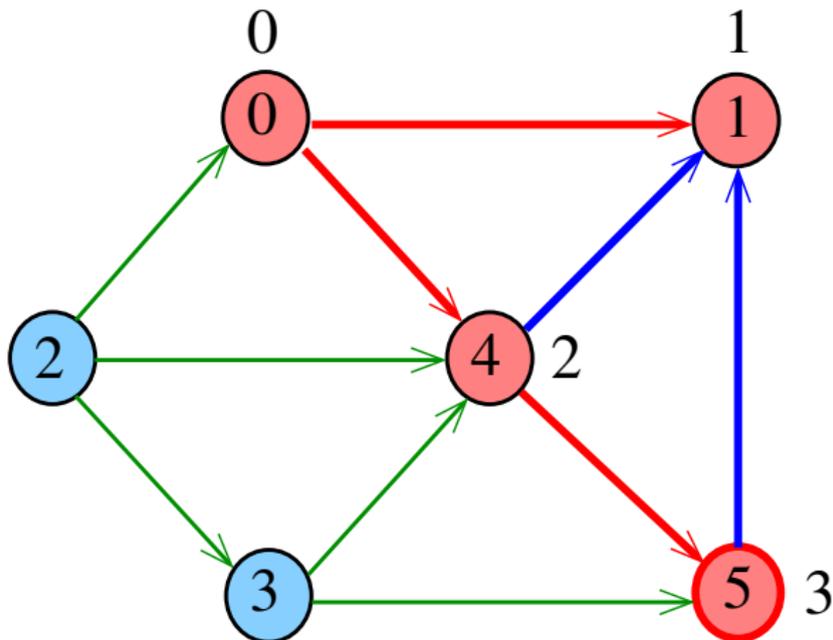
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]						1



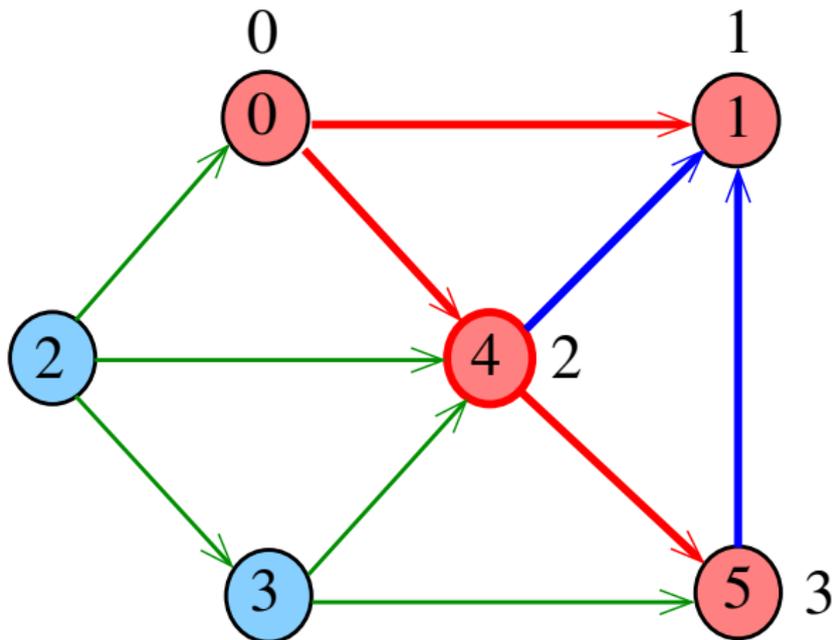
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]						1



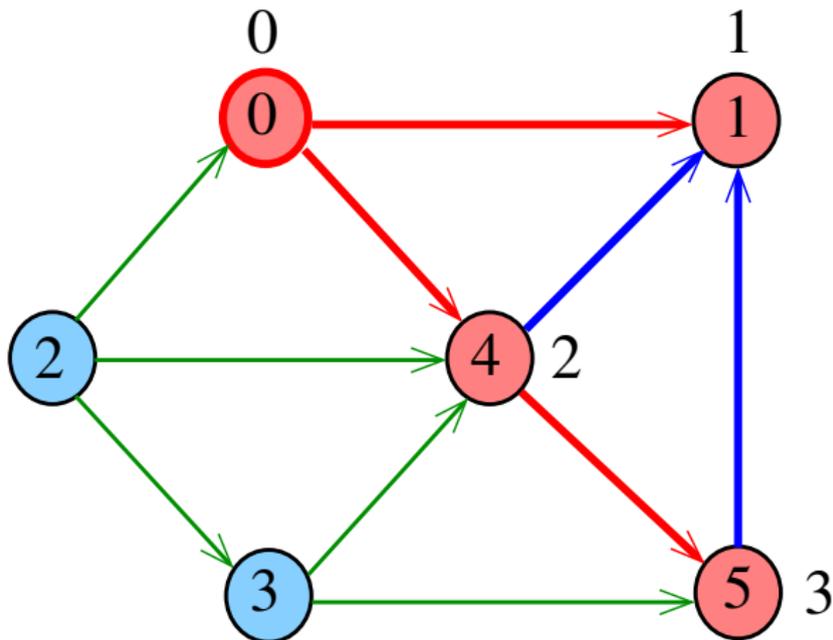
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]					5	1



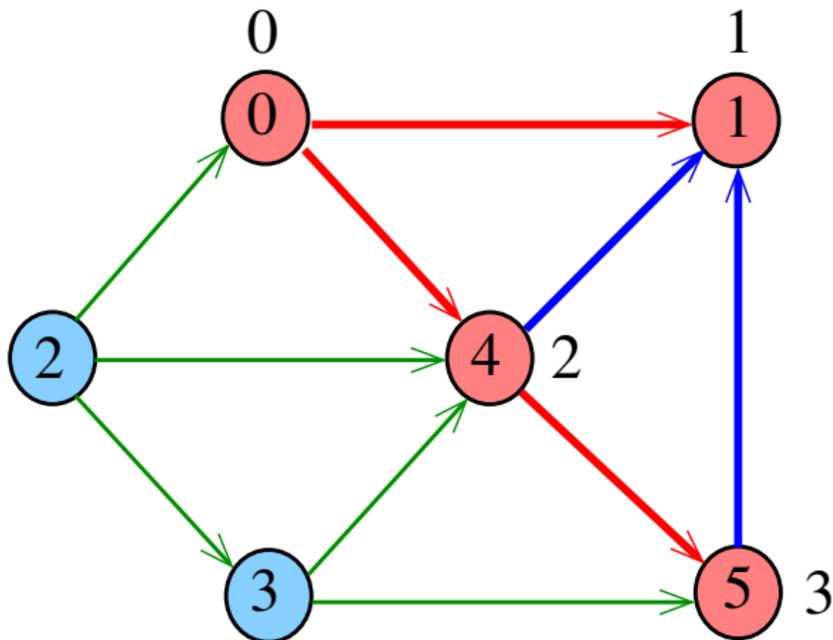
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]				4	5	1



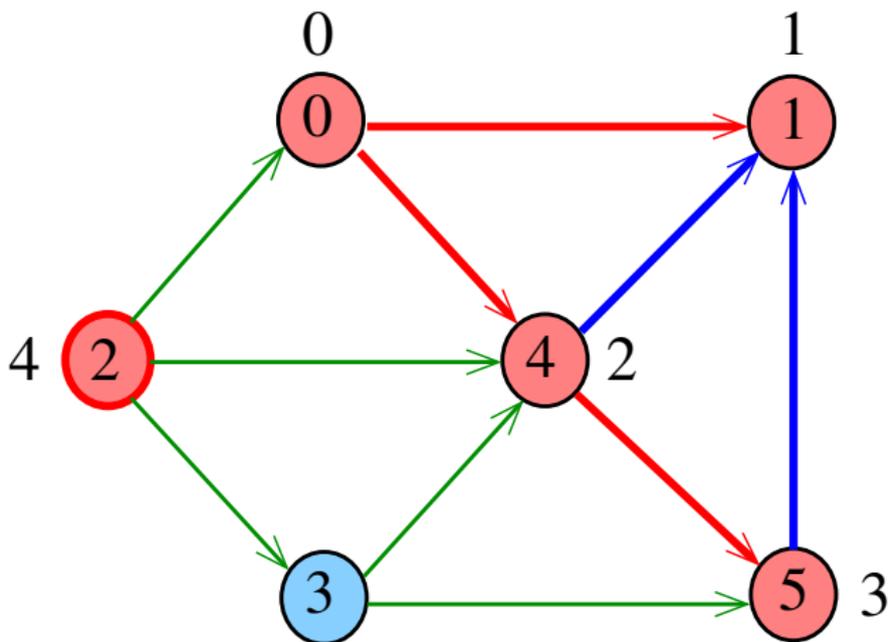
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]			0	4	5	1



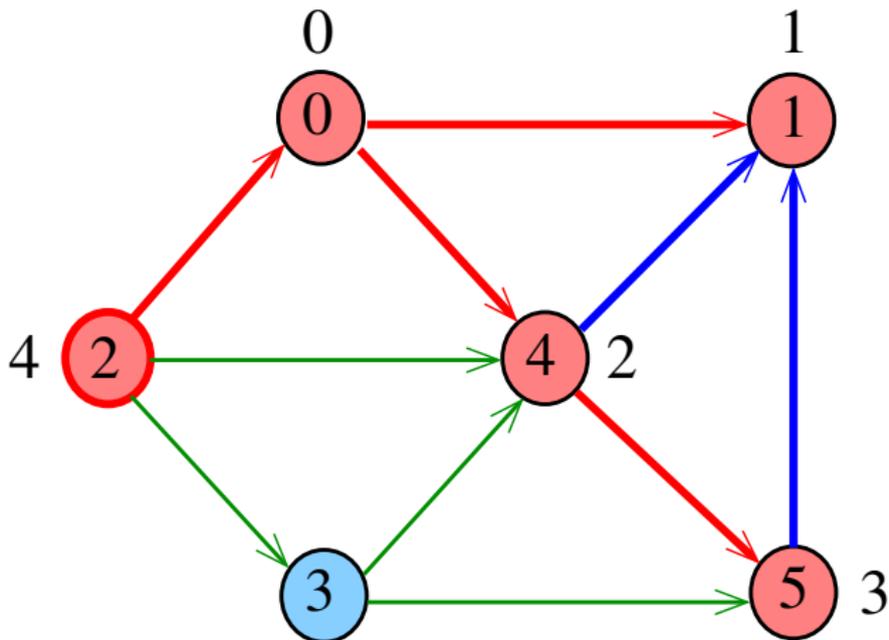
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]			0	4	5	1



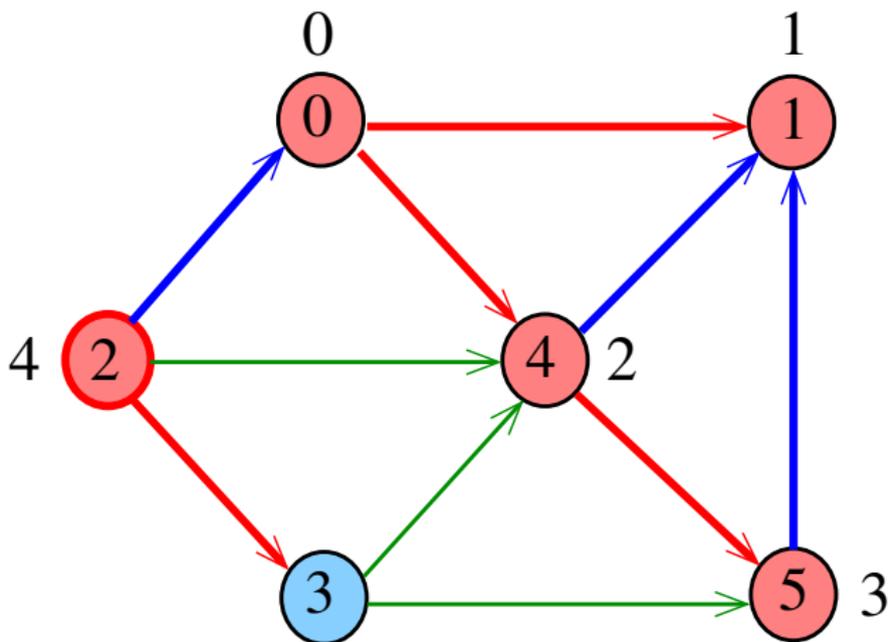
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]			0	4	5	1



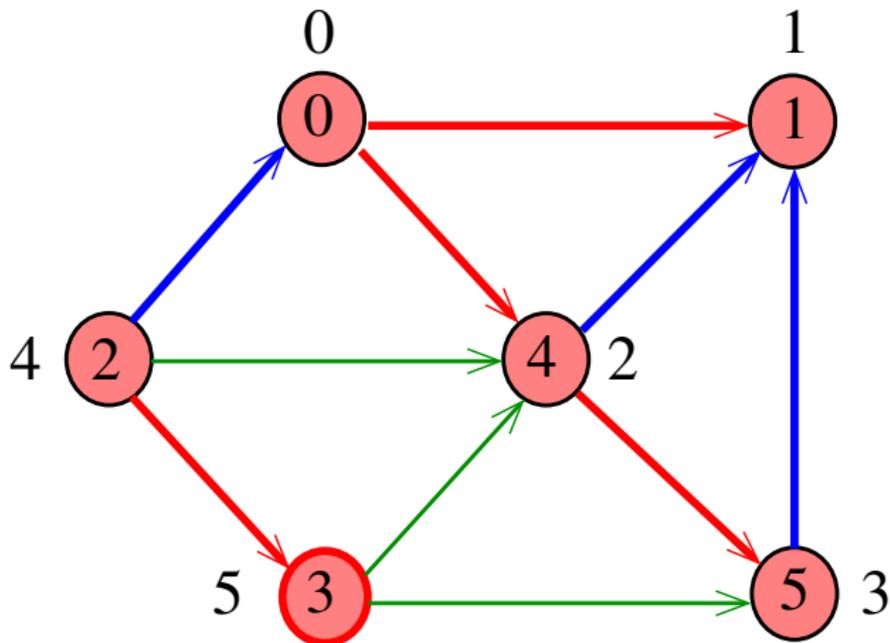
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]			0	4	5	1



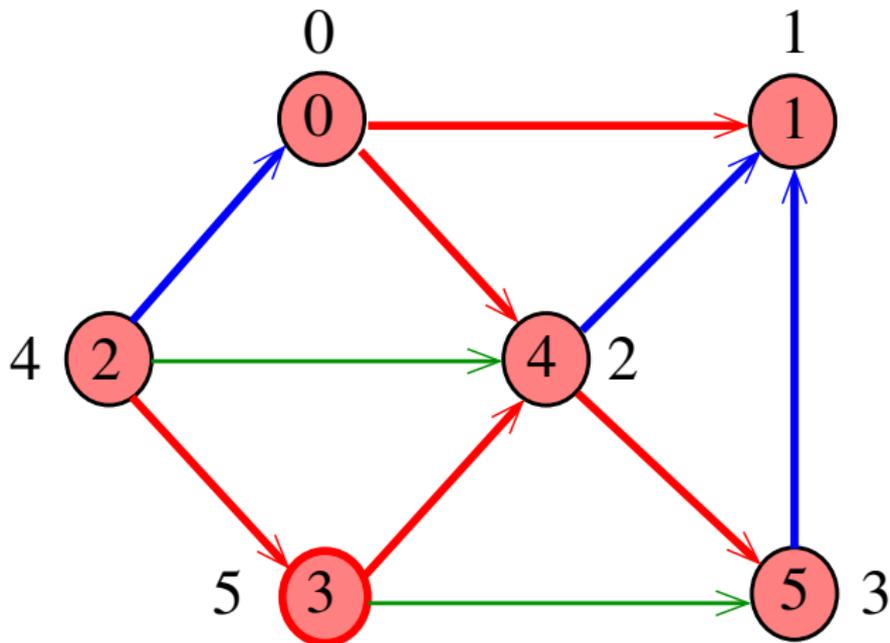
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]			0	4	5	1



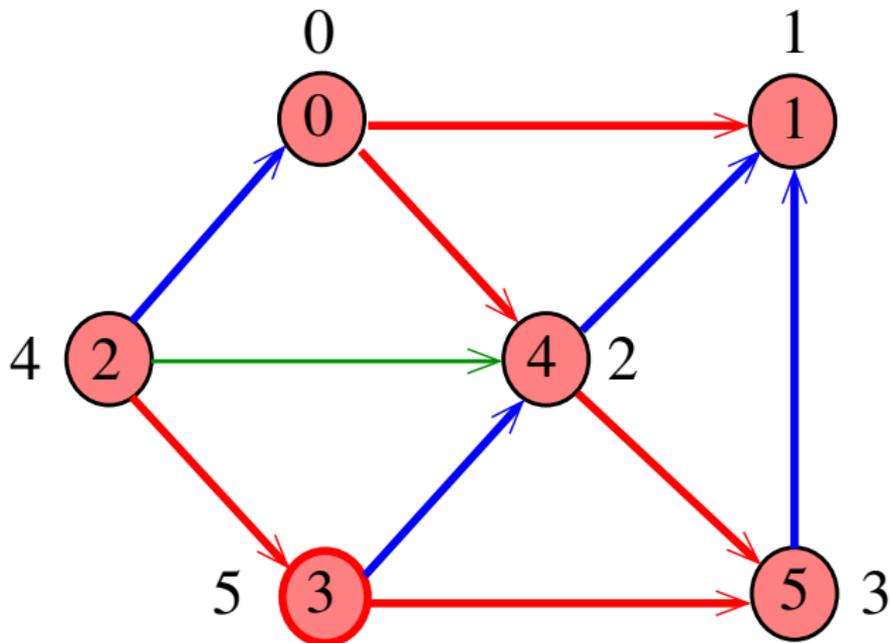
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]			0	4	5	1



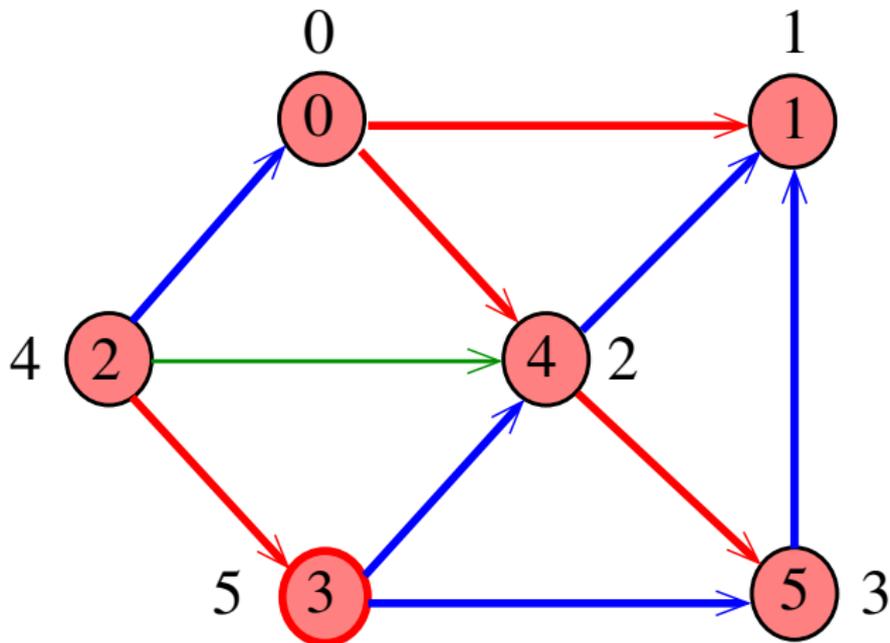
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]			0	4	5	1



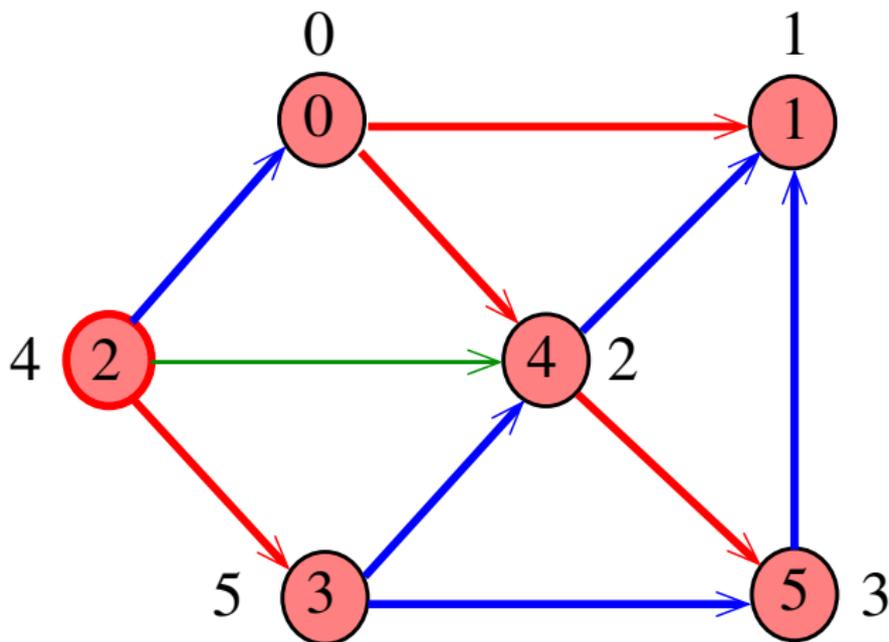
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]			0	4	5	1



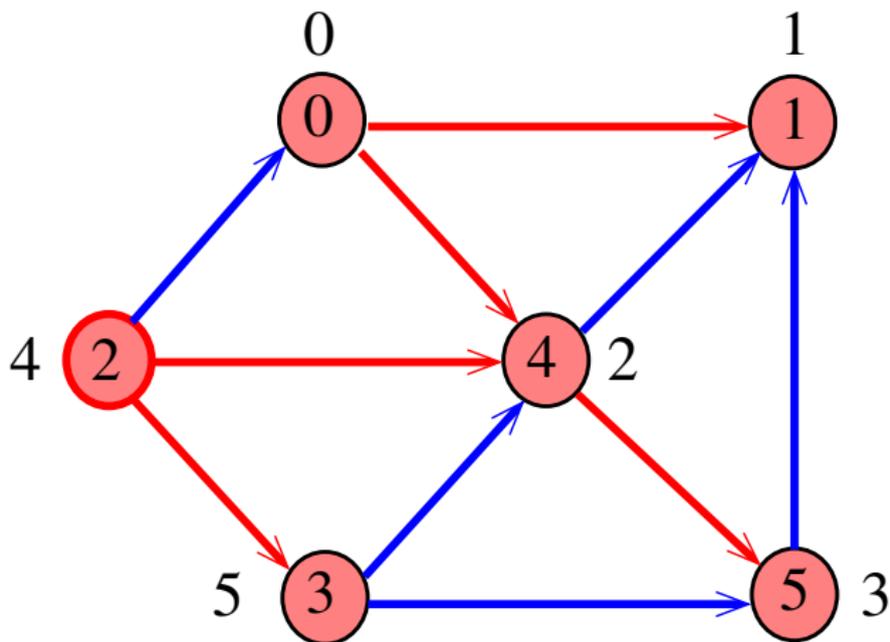
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]	3	0	4	5	1	



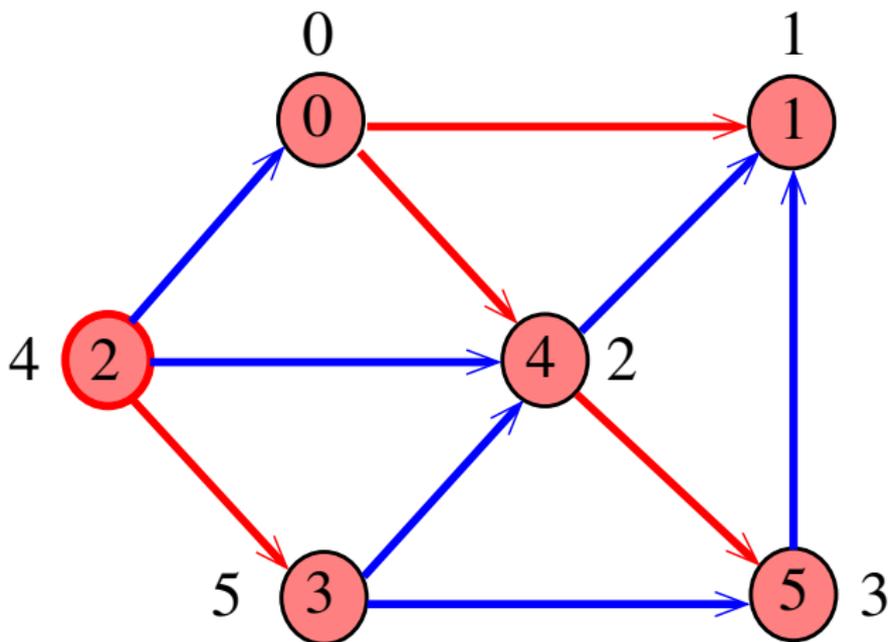
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]	3	0	4	5	1	



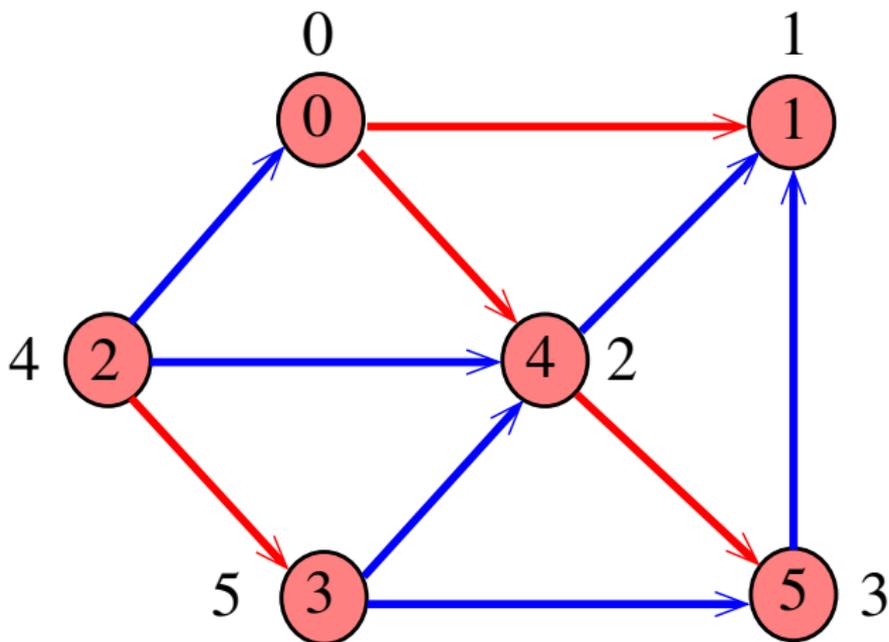
Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]	3	0	4	5	1	



Algoritmo DFS

i	0	1	2	3	4	5
ts[i]	2	3	0	4	5	1



Ordenação topológica

Decidir se um dado digrafo G é um DAG.

```
static Stack ts  
static Stack cycle;  
static bool *onPath;
```

Se G é um DAG, uma ordenação topológica de seus vértices é armazenada em `ts`.

Se G não é um DAG, `cycle` armazenará um ciclo de G .

Ordenação topológica

Decidir se um dado digrafo G é um DAG.

```
static Stack ts  
static Stack cycle;  
static bool *onPath;
```

Se G é um DAG, uma ordenação topológica de seus vértices é armazenada em `ts`.

Se G não é um DAG, `cycle` armazenará um ciclo de G .

`onPath[v]` é true se o vértice `v` está no *caminho ativo*.

Ordenação topológica da DFS

```
static bool *marked;  
static int *edgeTo;  
  
static bool *onPath;  
static Stack ts;  
static Stack cycle;
```

Ordenação topológica da DFS

```
static bool *marked;
static int *edgeTo;

static bool *onPath;
static Stack ts;
static Stack cycle;

/* indicador de ciclo */
static int onCycle = -1;

bool hasCycle() {          /* G contém um ciclo? */
    return onCycle != -1;
}

bool isDag() {              /* G é um DAG? */
    return onCycle == -1;
}
```

Ordenação topológica da DFS

Determina se um digrafo G é acíclico, e portanto seus vértices têm uma **ordem topológica**, ou tem um **ciclo**.

```
marked = mallocSafe(G->V*sizeof(bool));
edgeTo = mallocSafe(G->V*sizeof(int));
onPath = mallocSafe(G->V*sizeof(bool));
for (int v = 0; v < G->V; v++)
    marked[v] = onPath[v] = false;
ts      = stackInit();
cycle   = stackInit();
```

Ordenação topológica da DFS

Determina se um digrafo G é acíclico, e portanto seus vértices têm uma **ordem topológica**, ou tem um **ciclo**.

```
marked = mallocSafe(G->V*sizeof(bool));
edgeTo = mallocSafe(G->V*sizeof(int));
onPath = mallocSafe(G->V*sizeof(bool));
for (int v = 0; v < G->V; v++)
    marked[v] = onPath[v] = false;
ts      = stackInit();
cycle   = stackInit();
for (int v = 0; v < G->V; v++)
    if (!marked[v] && onCycle == -1)
        dfs(G, v);
```

Alterações na dfs()

```
static void dfs(Digraph G, int v) {  
    Link w;  
    marked[v] = true;    onPath[v] = true;  
    for (w = G->adj[v]; w != NULL; w = w->next) {  
        if (hasCycle()) return;  
        if (!marked[w->vertex]) {  
            edgeTo[w->vertex] = v;  
            dfs(G, w->vertex);  
        }  
    }  
}
```

Alterações na dfs()

```
static void dfs(Digraph G, int v) {
    Link w;
    marked[v] = true;    onPath[v] = true;
    for (w = G->adj[v]; w != NULL; w = w->next) {
        if (hasCycle()) return;
        if (!marked[w->vertex]) {
            edgeTo[w->vertex] = v;
            dfs(G, w->vertex);
        } else if (onPath[w->vertex]) {
            onCycle = v;
            edgeTo[w->vertex] = v; /* fecha o ciclo */
        }
    }
    onPath[v] = false;    push(ts, v);
}
```

Rotina Cycle()

Retorna uma pilha com o **ciclo** se **G** possui um ciclo, ou **NULL** em caso contrário.

```
Stack Cycle() {  
    if (!hasCycle()) return NULL;  
    if (!stackEmpty(cycle)) return cycle;  
    for (int x = edgeTo[onCycle];  
         x != onCycle; x = edgeTo[x])  
        push(cycle, x);  
    push(cycle, onCycle);  
    return cycle;  
}
```

Rotina `order()`

Retorna uma pilha com a **ordem topológica** dos vértices de G se G é um DAG, ou **NULL** em caso contrário.

```
Stack order() {  
    if (!isDag()) return NULL;  
    return ts;  
}
```

Consumo de tempo

O consumo de tempo para obter uma ordenação topológica com DFS para **vetor de listas de adjacência** é $O(V + E)$.

Ordenação topológica com DFS, para **matriz de adjacências**, consome tempo $O(V^2)$.

Conclusão

Para todo digrafo G , vale uma e apenas uma das seguintes afirmações:

- ▶ G possui um **ciclo**;
- ▶ G é um DAG e, portanto, admite uma **ordenação topológica**.

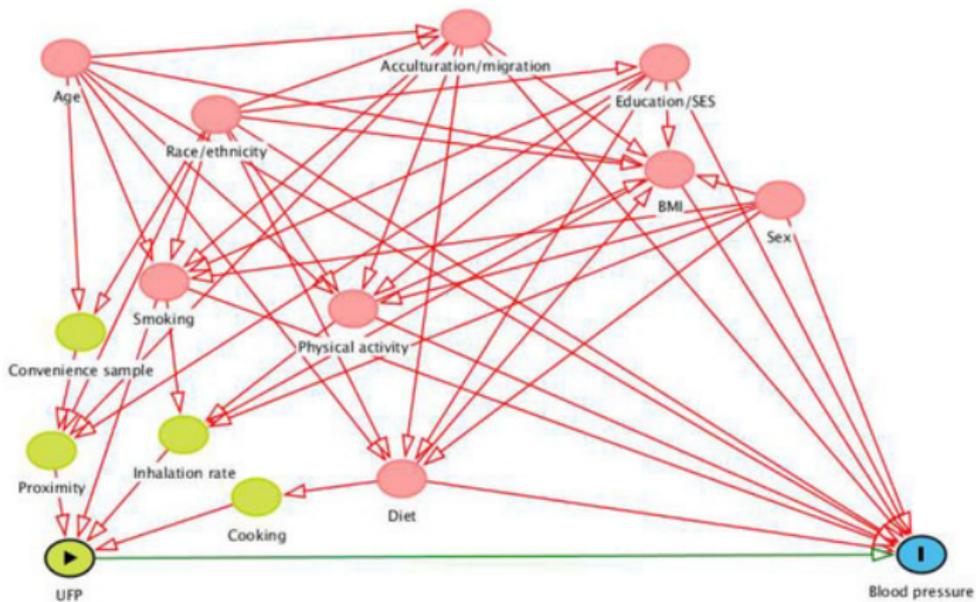


Fonte: [Avatar: The Last Airbender](#)

Exercício

Adapte a implementação apresentada da ordenação topológica para que devolva um struct `DFStopological`, como fizemos com a `DFSanatomia`.

Usaremos isso algumas aulas adiante.



Fonte: Relationship of Time-Activity-Adjusted Particle Number Concentration with Blood Pressure